Document made available under the Patent Cooperation Treaty (PCT)

International application number: PCT/JP05/006163

International filing date: 30 March 2005 (30.03.2005)

Document type: Certified copy of priority document

Document details: Country/Office: JP

Number: 2004-106315

Filing date: 31 March 2004 (31.03.2004)

Date of receipt at the International Bureau: 20 May 2005 (20.05.2005)

Remark: Priority document submitted or transmitted to the International Bureau in

compliance with Rule 17.1(a) or (b)



日本国特許庁 JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出願年月日

Date of Application: 2004年 3月31日

出 願 番 号

 Application Number:
 特願2004-106315

パリ条約による外国への出願 に用いる優先権の主張の基礎 となる出願の国コードと出願 番号

JP2004-106315

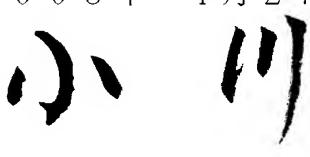
The country code and number of your priority application, to be used for filing abroad under the Paris Convention, is

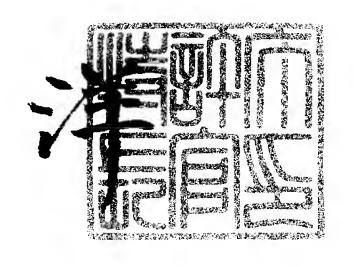
出 願 人 第一製薬株式会社

Applicant(s):

2005年 4月27日

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office





【書類名】 特許願 【整理番号】 NP04-1026【あて先】 特許庁長官殿 【国際特許分類】 A 6 1 P 3 5 / 0 0C12N 15/09A01K 67/27【発明者】 東京都多摩市貝取1493-1 シャロンパーク永山604 【住所又は居所】 【氏名】 秋山 徹 【発明者】 東京都北区西ヶ原2-20-7-105 【住所又は居所】 【氏名】 石田尾 武文 【発明者】 【住所又は居所】 新潟県新井市中央町10-9 【氏名】 智生 相羽 【特許出願人】 【識別番号】 0 0 0 0 0 2 8 3 1 【氏名又は名称】 第一製薬株式会社 【代理人】 【識別番号】 100088904 【弁理士】 【氏名又は名称】 庄司 隆 【電話番号】 03-3864-6572 【手数料の表示】 【予納台帳番号】 067070 【納付金額】 21,000円 【提出物件の目録】 【物件名】 特許請求の範囲 【物件名】 明細書 【物件名】 図面

【物件名】

要約書

【書類名】特許請求の範囲

【請求項1】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む抗腫瘍剤。

【請求項2】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤である請求項1に記載の抗腫瘍剤。

【請求項3】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つである請求項1に記載の抗腫瘍剤。

【請求項4】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項1から3のいずれか1項に記載の抗腫瘍剤。

【請求項5】

Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物を含むsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強剤および/または機能増強剤。

【請求項6】

Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つである請求項5に記載のsFRP(secreted frizzledーrelated protein)の発現増強剤および/または機能増強剤。

【請求項7】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項5または6に記載のsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤。

【請求項8】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤。

【請求項9】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤である請求項8に記載の腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤。

【請求項10】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つである請求項8に記載の腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤。

【請求項11】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項8から10のいずれか1項に記載の腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤。

【請求項12】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強することを特徴とする腫瘍形成阻害方法。

【請求項13】

Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤を用いることを特徴とする、請求項12に記載の腫瘍形成阻害方法。

【請求項14】

Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つを用いることを特徴とする請求項12に記載の腫瘍形成阻害方法。

【請求項15】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項12から14のいずれか1項に記載の腫瘍形成阻害方法。

【請求項16】

Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強することを特徴とする、sFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強方法および/または機能増強方法。

【請求項17】

Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくともしつを用いることを特徴とする請求項16に記載のsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強方法および/または機能増強方法。

【請求項18】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項16または17に記載のsFRPの発現増強方法および/または機能増強方法。

【請求項19】

Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強することを特徴とする、腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法。

【請求項20】

Dlg(discs large)の発現増強剤および/または機能増強剤を用いることを特徴とする請求項19に記載の腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法。

【請求項21】

Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つを用いることを特徴とする請求項19に記載の腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法。

【請求項22】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項19から21のいずれか1項に記載の腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法。

【請求項23】

Dlg(discs large)対立遺伝子の一方が欠損した非ヒト哺乳動物を用いることを特徴とする、下記いずれかの化合物の同定方法;

(i)腫瘍形成を阻害する化合物、

(ii) Dlgの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、

および

(iii)sFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物。

【請求項24】

- Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物由来の細胞を用いることを特徴とする、下記いずれかの化合物の同定方法;
- (i) Dlgの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、
- (ii) sFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、および
- (iii) sFRPのメチル化を阻害する作用および/または脱メチル化する作用を有する化合物。

【請求項25】

sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である請求項23または24に記載の化合物の同定方法。

【請求項26】

Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物。

【請求項27】

Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物由来の細胞。

【請求項28】

被検組織または被検細胞中のDlg(discs large)遺伝子および/またはDlgの発現および/または機能を測定し、正常組織または正常細胞と比較して該発現および/または該機能の低下または消失を検出することを特徴とする、腫瘍組織または腫瘍細胞の検査方法。

【書類名】明細書

【発明の名称】sFRP発現増強剤

【技術分野】

 $[0\ 0\ 0\ 1]$

本発明は、Dlg (discs large)によるsFRP (secreted f rizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強 する作用を有する化合物を含む抗腫瘍剤に関する。また、Dlgの発現および/または機 能を増強する作用を有する化合物を含むsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤 に関する。さらに、DlgによるsFRPの発現および/または機能を、増強する作用を 有する化合物を含む腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤に関する。また、Dlgによ るsFRPの発現および/または機能を、増強することを特徴とする腫瘍形成阻害方法に 関する。さらに、Dlgの発現および/または機能を増強することを特徴とする、sFR Pの発現増強方法および/または機能増強方法に関する。また、D1gによるsFRPの 発現および/または機能を、増強することを特徴とする、腫瘍疾患の防止方法および/ま たは治療方法に関する。さらに、D1g対立遺伝子の一方が欠損した非ヒト哺乳動物を用 いることを特徴とする、化合物の同定方法に関する。また、D1g対立遺伝子の一方また は両方が欠損した非ヒト哺乳動物由来の細胞を用いることを特徴とする、化合物の同定方 法に関する。さらに、D1g対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物に関 する。また、該非ヒト哺乳動物由来の細胞に関する。さらに、Dlg遺伝子および/また はDlgの発現および/または機能を測定することを特徴とする、腫瘍組織または腫瘍細 胞の検査方法に関する。

【背景技術】

[0002]

Dlg(discs large)遺伝子は、数々の組織や細胞で普遍的に発現が認められている遺伝子である。Dlg遺伝子によりコードされる蛋白質(以下、Dlgと呼称する)は、APC(adenomatous polyposis coli)のC末端 XVTモチーフに結合することが報告されている(非特許文献 l)。APC遺伝子は、家族性腺腫性ボリボーシス(familial adenomatous polyposis:FAP)の原因遺伝子として単離された。APC遺伝子はFAPだけでなく、散発性の大腸癌についても多数の症例でその異常が検出されている。このことから、APC遺伝子の異常は大腸癌発症の重要な要因であると考えられる。APC遺伝子によりコードされる蛋白質(以下、APCと呼称する)は300kDaの巨大な蛋白質で、 β ーカテニンと複合体を形成し、Wnt/Winglessシグナル(以下、Wntシグナルと呼称する)伝達経路を負に制御している。また、APCの過剰発現は細胞周期の進行を阻害する。DlgとAPCの発現がラット大腸上皮細胞および培養海馬ニューロンのシナプスで共に認められたことから、DlgとAPCの複合体は、細胞周期の進行およびニューロン機能に寄与していると考えられる。

[0003]

Wntシグナルは、形態形成を制御する情報伝達系として見出され、発生、幹細胞分化制御および細胞癌化等の様々な現象に関わることが知られている。最近、Wntシグナルが、幹細胞の増殖調節および生存に重要な因子であることが報告された(非特許文献 2 および 3)。Wntシグナルは、Wntリガンドにより細胞膜上に存在するフリズルドメンブレンレセプター(frizzled membrane receptor;以下、Fz と略称する)を介して伝達される。近年、Fz および Wntに結合する分泌化フリズルド関連蛋白質(secreted frizzled-related proteins;以下、sFRPと略称する)が見い出された(非特許文献 4)。sFRPは細胞外においてFz および Wntに結合して、Wntシグナルのアンタゴニストとして作用し、Wntシグナルの調節に関わっていると考えられる(非特許文献 5)。また、sFRPの機能を大腸癌細胞においてはsFRP遺伝子のメチル化によりsFRPの機能が低下

していることが報告されている(非特許文献6)。

$[0\ 0\ 0\ 4\]$

【非特許文献 1 】 マツミネ (Matsumine, A) ら、「サイエンス (Science) 」、1996年、第272巻、p. 1020-1023。

【非特許文献 2】 ウィラート(Willert, K) ら、「ネイチャー(Nature)」、2003年、第423巻、p. 448-452。

【非特許文献3】ルヤ(Reya, T)ら、「ネイチャー(Nature)」、2003年、第423巻、p. 409-414。

【非特許文献4】カワノ(Kawano, Y)ら、「ジャーナル オブ セル サイエンス(Journal of Cell Science)」、2003年、第116巻、p. 2627-2634。

【非特許文献5】ジョーンズ(Jones, S. E.) ら、「バイオエッセイズ(BioEssays)」、2002年、第24巻、p.811-820。

【非特許文献 6 】 スズキ(Suzuki, H)ら、「ネイチャー ジェネティクス(Nature Genetics)」、2004年3月14日オンライン公開。

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

$[0\ 0\ 0\ 5]$

D1g遺伝子は、ショウジョウバエにおいてその欠損により神経芽細胞腫を形成することが報告されていることから、癌抑制遺伝子であると考えられている。また、D1gがAPCと結合することや、APCが腫瘍形成に関わるWntシグナルの調節に関与していることから、D1gのWntシグナルへの関与が考えられる。しかしながら、哺乳動物においてD1g遺伝子が癌抑制遺伝子として作用することを明らかにした報告はない。また、D1gのWntシグナルへの関与についての報告もない。

$[0\ 0\ 0\ 6\]$

Dlgの作用およびその作用メカニズムを哺乳動物において明らかにし、その作用を調節する手段を提供することは、Dlg遺伝子、Dlgおよびこれらの発現や機能の異常に起因する疾患の防止手段または治療手段の開発に有用である。

$[0 \ 0 \ 0 \ 7]$

本発明においては、Dlgの作用を調節する手段の提供を課題とする。また、Dlg遺伝子の異常に起因する疾患の防止手段または治療手段を提供することを課題とする。

【課題を解決するための手段】

[0008]

上記課題を解決すべく本発明者らは鋭意努力し、Dlg遺伝子ノックアウトマウスを遺伝子工学的手法により作製した。そして、Dlg遺伝子へテロ欠損マウスにおいて腫瘍が形成されること、および腫瘍形成にDlg遺伝子欠損が重要な因子であることを見い出した。さらに、Dlg遺伝子欠損により、sFRPl遺伝子およびsFRP2遺伝子の転写が低減することを見出し、これら知見により本発明を完成するに至った。

$[0\ 0\ 0\ 9]$

すなわち、本発明は、

1. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む抗腫瘍剤、

2. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤である前記1. の抗腫瘍剤、

3. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクタ

- ーのうちの少なくとも1つである前記1.の抗腫瘍剤、
- 4. sFRP (secreted frizzled-related protein)が、sFRP 2である前記1. から3. のいずれかの抗腫瘍剤、
- 5. Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物を含むsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強剤および/または機能増強剤、
- 6. Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つである前記5.のsFRP(secreted frizzledーrelated protein)の発現増強剤および/または機能増強剤、
- 7. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記5. または6. のsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤、
- 8. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤、
- 9. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤である前記8.の腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤、
- 10. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物が、Dlg、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えべクターのうちの少なくとも1つである前記8.の腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤、
- 11. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記8.から10.のいずれかの腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤、
- 12. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強することを特徴とする腫瘍形成阻害方法、
- 13. Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤を用いることを特徴とする、前記12.の腫瘍形成阻害方法、
- 14. Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つを用いることを特徴とする前記12. の腫瘍形成阻害方法、
- 15. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記12.から14.のいずれかの腫瘍形成阻害方法、
- 16. Dlg(discs large)の発現および/または機能を増強することを特徴とする、sFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強方法および/または機能増強方法、
- 17. Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つを用いることを特徴とする前記16.のsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現増強方法および/または機能増強方法、
- 18. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記16. または17. のsFRPの発現増強方法および/または機能増強方法、
- 19. Dlg(discs large)によるsFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を、増強することを特徴とする、腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法、

- 20. Dlg(discs large)の発現増強剤および/または機能増強剤を用いることを特徴とする前記19. の腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法、
- 21. Dlg(discs large)、Dlg遺伝子およびDlg遺伝子を含有する組換えベクターのうちの少なくとも1つを用いることを特徴とする前記19. の腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法、
- 22. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記19. から21. のいずれかの腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法、
- 23. Dlg(discs large)対立遺伝子の一方が欠損した非ヒト哺乳動物を用いることを特徴とする、下記いずれかの化合物の同定方法;
- (i)腫瘍形成を阻害する化合物、
- (ii) Dlgの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、

および

- (iii) sFRP(secreted frizzled-related protein) の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、
- 24. Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物由来の細胞を用いることを特徴とする、下記いずれかの化合物の同定方法;
- (i) Dlgの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、
- (ii) sFRP(secreted frizzled-related protein)の発現および/または機能を増強する作用を有する化合物、および
- (iii) sFRPのメチル化を阻害する作用および/または脱メチル化する作用を有する化合物、
- 25. sFRP(secreted frizzled-related protein)が、sFRP2である前記23. または24. の化合物の同定方法、
- 26. Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物、
- 27. Dlg(discs large)対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物由来の細胞、
- 28.被検組織または被検細胞中のDlg(discs large)遺伝子および/またはDlgの発現および/または機能を測定し、正常組織または正常細胞と比較して該発現および/または該機能の低下または消失を検出することを特徴とする、腫瘍組織または腫瘍細胞の検査方法、

【発明の効果】

に関する。

$[0\ 0\ 1\ 0\]$

本発明により、抗腫瘍剤、sFRPの発現増強剤および/または機能増強剤、並びに腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤の提供が可能である。これら薬剤を用いて腫瘍疾患の防止および治療が達成できる。該抗腫瘍剤並びにsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤は、D1gによるsFRPの発現および/または機能のメカニズム解明並びにD1gの欠損による腫瘍形成のメカニズム解明に利用できる。また、本発明において提供するD1g欠損非ヒト哺乳動物および該哺乳動物由来の細胞の使用により、抗腫瘍剤、sFRPの発現増強剤および/または機能増強剤、sFRP遺伝子のメチル化阻害剤および/または脱メチル化剤、並びに腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤に用い得る化合物の同定方法が実施可能になる。

【発明を実施するための最良の形態】

以下、本発明について発明の実施の態様をさらに詳しく説明する。

本発明においては、D1g遺伝子ノックアウトマウスを遺伝子工学的手法により作製した(実施例1参照)。そして、D1gの発現低下および/または機能低下が腫瘍形成の重

要な要因であることを、哺乳動物において初めて明らかにした。

$[0\ 0\ 1\ 2]$

本明細書および特許請求の範囲において、「Dlg遺伝子ノックアウトマウス」とは、個体においてDlg遺伝子のみを欠損させたマウスをいう。「Dlg」とは、Dlg蛋白質を意味し、「Dlg遺伝子」とは、Dlgをコードする遺伝子を指す。「Dlgの発現」とは、DlgをコードするDNAの遺伝子情報がmRNA(Dlg mRNA)に転写されること、または、mRNAに転写され、かつ蛋白質(Dlg)のアミノ酸配列として翻訳されることをいう。

$[0\ 0\ 1\ 3]$

D1g遺伝子ノックアウトマウスのうち、D1g遺伝子ホモ欠損マウス(以下、D1gー/ーマウスと呼称する)は、生後短期間で死亡するために成熟マウスを得られなかったが、胚および新生児マウスが得られた。D1gー/ーマウスでは、D1gが検出されなかった。D1gー/ーマウスでは、D1g対立遺伝子の両方が欠損していることにより、D1g遺伝子の転写が起きず、その結果、D1gのアミノ酸配列が翻訳されない。D1gが発現されないことから、D1gー/ーマウスでは、D1gの機能は消失している。一方、D1g遺伝子へテロ欠損マウス(以下、D1g+/ーマウスと呼称する)については、胚、新生児マウスおよび成熟マウスが得られた。D1g+/ーマウスでは、D1gが検出されたが、その量は野生型マウス(以下、D1g+/+マウスと呼称する)と比較して少なかった。

$[0\ 0\ 1\ 4\]$

 $D \cdot 1 \cdot g + 1 - \neg \gamma$ スにおいては、成長に伴って、皮膚腫瘍およびナチュラルキラーリンバ腫の形成が認められた。形成された腫瘍を含む皮膚組織において、正常筋細胞で $D \cdot 1 \cdot g$ が検出されたが、腫瘍細胞では $D \cdot 1 \cdot g$ が検出されなかった。このことから、 $D \cdot 1 \cdot g \cdot g \cdot f$ マウスにおける腫瘍形成は、 $D \cdot 1 \cdot g$ 遺伝子の欠損による $D \cdot 1 \cdot g$ の発現低下および/または機能低下に起因すると考えられる。あるいは、該マウスにおいては対立遺伝子の一方が欠損していることにより、成熟過程で $D \cdot 1 \cdot g$ 遺伝子の自然変異誘発等が起こり易く、そのため $D \cdot 1 \cdot g$ の発現異常が生じて腫瘍が形成される可能性も考えられる。

$[0\ 0\ 1\ 5]$

また、Dlgー/ーマウスから採取したマウス胚性線維芽細胞(以下、MEFと略称す る)において、sFRP1 mRNAおよびsFRP2 mRNAの減少が認められた。 特にsFRP2 mRNAが著しく減少していた。Dlgー/ーマウス由来のMEFにD 1g遺伝子を導入して発現させると、sFRP2 mRNAが増加することが判明した。 このことから、Dlgー/ーマウス由来のMEFにおけるmRNAの減少は、Dlg遺伝 子の欠損によると考える。mRNAの減少は、mRNAから翻訳されて生じる蛋白質の減 少を惹き起こし、その結果、生体内における該蛋白質の機能も低下させる。これらから、 Dlgの発現低下および/または機能低下は、sFRPの発現、特にsFRP2の発現お よび/または機能の低下を惹き起すと考える。sFRPは、Wntァンタゴニストとして の機能を有し、Wntシグナルの調節機能を担っていることが知られている(「ディベロ プメント (Development) 」、1998年、第125巻、p. 4767-47 76; および Γ ヒューマン モレキュラー ジェネティクス(Human Molecular Genetics)」、1999年、第8巻、p. 575-583**)**。最近、s FRP2等のsFRPファミリーの機能を大腸癌細胞において回復させることにより、W ntシグナルが低減されることが報告された(スズキ(Suzuki,H)ら、「ネイチ ャー ジェネティクス (Nature Genetics)」、2004年3月14日オ ンライン公開)。さらに、この報告においては、sFRP遺伝子のメチル化が多数の大腸 癌組織で認められることを開示している。これらから、大腸癌形成において、sFRP遺 伝子のメチル化により s F R P の発現および/または機能が低下し、その結果W n t シグ ナル伝達経路が活性化するというメカニズムが存在することが示唆された。癌細胞のゲノ ムDNA中に多くのDNAメチル化が観察されることは既に報告されており、発癌とDN Aメチル化との関連性が指摘されている。DNAメチル化は、DNAメチルトランスフェ

ラーゼによりDNA中のシトシン塩基にメチル基が付加されて5ーメチルシトシンが生じる反応である。メチル化されたDNAにはメチル化DNAに特異的に結合する蛋白質(MBP蛋白質)が結合し、さらにヒストン脱アセチル化酵素を含む転写リプレッサーとの複合体が形成されてヒストンが脱アセチル化するため、クロマチンの構造変化が起こり転写が抑制される。また、MBP蛋白質の結合により、メチル化DNAからの脱メチル化が妨げられてメチル化状態が維持され、転写が安定的に阻止される。すなわち、DNAメチル化は、遺伝子の転写のスイッチとしての作用を有している。例えば、癌抑制遺伝子がメチル化されると、その転写が抑制されるため、癌遺伝子の転写が惹き起こされる可能性がある。また、通常はメチル化されて転写が抑制されている癌遺伝子のメチル化が解除されると、癌遺伝子の転写が開始される可能性がある。

[0016]

sFRPがWntシグナルの調節機能を担っていることから、D1g遺伝子欠損による腫瘍形成のメカニズムには、D1gの発現低下および/または機能低下により、sFRPの発現および/または機能が阻害され、その結果Wntシグナルが促進されるというカスケードが存在すると考える。すなわち、D1gは、sFRPの発現および/または機能によりWntシグナルを負に調節すると考える。したがって、D1gは、Wntシグナルの活性化による腫瘍形成を阻害すると考える。したがって、D1gは、Wntシグナルの活性化による腫瘍形成を阻害すると考える。D1gによるsFRPの発現および/または機能に関わるメカニズムとして、D1gによる、sFRPの発現に関与する転写因子や転写調節因子の調節が考えられる。また、別のメカニズムとして、D1gによる、sFRP遺伝子のメチル化の調節が考えられる。例えば、D1gにより、sFRP遺伝子のメチル化の調節が考えられる。例えば、D1gにより、sFRP遺伝子のメチル化の調節が考えられる。例えば、D1gにより、sFRP遺伝子のメチルトランスフェラーゼの作用が阻害され、その結果、sFPPの発現および/または機能が正常な状態に維持されるといったメカニズムが考えられる。

$[0\ 0\ 1\ 7]$

このように、Dlgの発現低下および/または機能低下により、sFRPの発現および/または機能が阻害され、その結果、Wntシグナルが促進されて腫瘍が形成される。sFRPの発現および/または機能の阻害は、Dlgの発現低下および/または該発現低下に起因するDlgの機能低下のみならず、Dlg遺伝子の変異や該遺伝子の転写・翻訳過程の異常、あるいは蛋白質修飾過程の異常等に起因するDlgの機能低下によっても惹き起こされる。

[0018]

したがって、DlgによるsFRPの発現および/または機能、好ましくはDlgによ るSFRP2の発現および/または機能を、増強することにより、Wntシグナルを介し た細胞増殖および腫瘍形成を阻害できると考える。さらには、DlgによるsFRPの発 現および/または機能、好ましくはDlgによるsFRP2の発現および/または機能を 、増強することにより、Wntシグナルの活性化に起因する疾患、例えば腫瘍疾患の防止 および/または治療が可能である。本明細書および特許請求の範囲において、「sFRP の発現」とは、sFRPをコードするDNAの遺伝子情報がmRNA(sFRP mRN A)に転写されること、または、mRNAに転写され、かつ蛋白質(sFRP)のアミノ 酸配列として翻訳されることを意味する。「sFRPの機能」としては、例えばWntシ グナルアンタゴニストとして、Wntシグナル伝達経路を負に調節する機能が例示できる 。「DlgによるsFRPの発現および/または機能を増強する」とは、Dlgによるs FRPの発現および/または機能がほとんど認められない状態から、該発現および/また は機能が認められる状態に変化させること、並びに該発現および/または機能が認められ る状態から、その発現量および/または機能がさらに増加した状態に変化させることのい ずれをも意味する。「Wntシグナルの活性化」とは、Wntシグナルの作動の程度が正 常な状態と比較して高く変化することをいう。Wntシグナルの作動の程度が高く変化す ることにより、細胞増殖や腫瘍形成等が惹き起こされる。

$[0\ 0\ 1\ 9]$

DlgによるsFRPの発現および/または機能、好ましくはDlgによるsFRP2

の発現および/または機能を、増強することは、例えば、Dlgの発現および/または機 能を増強することにより実施可能である。Dlgの機能としては、sFRPの発現および /または機能に関わるメカニズムの調節作用が挙げられる。例えば、D1gの機能として sFRP遺伝子の転写因子や転写調節因子の機能の増強や、sFRP遺伝子のメチル化の 阻害等が考えられる。Dlgの発現および/または機能を増強することにより、sFRP 遺伝子の転写因子や転写調節因子の機能の増強またはsFRP遺伝子のメチル化の阻害等 を介して、sFRPの発現および/または機能を増強することができる。具体的には、s FRPの発現および/または機能を増強することは、DlgによるsFRPの発現および ✓または機能を、増強する作用を有する化合物により実施可能である。このような化合物 として、D1g自体またはD1g遺伝子若しくはD1g遺伝子を含有する組換えベクター を例示できる。あるいはDlgの発現増強剤および/または機能増強剤を用いて実施する ことができる。D1gによるsFRPの発現を、増強する作用を有する化合物は、後述す る化合物の同定方法により、種々の化合物から当該作用を有する化合物を選別することに より取得できる。また、Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤の有効成分として 用い得る化合物は、後述する化合物の同定方法により、種々の化合物からDlgの発現お よび/または機能を増強する化合物を選別することにより取得できる。このように、D1 gによるsFRPの発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を用いて、 sFRPの発現および/または機能を増強することにより、Wntシグナルを介した細胞 増殖および腫瘍形成の阻害、腫瘍疾患の防止および/または治療が可能である。

[0020]

本発明においては、DlgによるsFRPの発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む抗腫瘍剤、Dlgの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物を含むsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤、DlgによるsFRPの発現および/または機能を、増強する作用を有する化合物を含む腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤を提供する。以下、本発明において、sFRPとして、好ましくはsFRP2である。また、DlgによるsFRPの発現および/または機能を、増強することを特徴とする腫瘍形成阻害方法、Dlgの発現および/または機能を増強することを特徴とするsFRPの発現増強方法および/または機能増強方法、DlgによるsFRPの発現および/または機能を、増強することを特徴とする腫瘍疾患の防止方法および/または機能増充力法とび/または機能増強剤、sFRP発現増強剤および/または機能増強剤、並びに腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤のいずれかを使用して実施可能である。

$[0 \ 0 \ 2 \ 1]$

Dlgとしては、哺乳動物、例えば、ヒト、マウス、ラット等のあらゆる組織または細 胞等に由来する蛋白質が挙げられる。具体的には例えば、配列表の配列番号2に記載のア ミノ酸配列で表されるヒト由来蛋白質、あるいは配列番号4に記載のアミノ酸配列で表わ されるマウス由来蛋白質が好ましく例示できる。D1gは配列番号2または4に記載のア ミノ酸配列で表される蛋白質に限定されず、該アミノ酸配列を含む蛋白質、または該アミ ノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さら に好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列で表される蛋白質であることが できる。あるいは、該アミノ酸配列において1乃至数個のアミノ酸に置換、欠失、付加ま たは挿入等の変異が存するアミノ酸配列で表される蛋白質であり得る。これら蛋白質は、 Dlgとしての機能を有する蛋白質、例えば、sFRP、好ましくはsFRP2の発現お よび/または機能を増強することができる蛋白質であることが好ましい。アミノ酸の変異 の程度およびそれらの位置等は、該変異を有する蛋白質が、sFRP、好ましくはsFR P2の発現および/または機能を増強することができる限り特に制限されない。かかる変 異を有する蛋白質は、天然において例えば突然変異や翻訳後の修飾等により生じたもので あってよく、また天然由来の遺伝子に基づいて変異を導入して得たものであってもよい。 変異を導入する方法は自体公知であり、例えば、公知の遺伝子工学的技術を利用して実施 できる。変異の導入において、当該蛋白質の基本的な性質(物性、機能、生理活性または

免疫学的活性等)を変化させないという観点からは、例えば、同族アミノ酸(極性アミノ 酸、非極性アミノ酸、疎水性アミノ酸、親水性アミノ酸、陽性荷電アミノ酸、陰性荷電ア ミノ酸および芳香族アミノ酸等)の間での相互の置換は容易に想定される。

[0022]

Dlgは、Dlgの発現が確認されている哺乳動物由来の組織や細胞から、公知の蛋白 質精製方法に従って精製することにより取得できる。このような方法においては、まず、 哺乳動物由来の組織や細胞をホモジナイズした後に、酸や有機溶媒等で蛋白質の抽出を行 なう。次いで、得られた抽出液から、公知の精製法を利用してD1gを単離精製する。単 離精製方法としては、例えば硫酸アンモニウム沈殿、限外ろ過、ゲルクロマトグラフィー 、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィー、高速液体クロマ トグラフィー、透析法等を単独でまたは適宜組合せて用いることができる。好ましくは、 Dlgまたはその断片を用いて公知の抗体作製法により作製した抗Dlg特異的抗体を使 用して特異的に吸着する方法が推奨される。具体的には、該抗体を結合させたカラムを利 用するアフィニティクロマトグラフィーを用いることが好ましい。また、Dlgは、一般 的な化学合成法により製造することができる。蛋白質の化学合成方法として、成書(「ペ プチド合成」、丸善株式会社、1975年;および「ペプチド シンテシス(Pepti de Synthesis)]、インターサイエンス(Interscience)、ニ ューヨーク(New York)、1996年)に記載の方法が例示されるが、これらに 限らず公知の方法が広く利用可能である。具体的には、例えば、固相合成方法、液相合成 方法等が知られているがいずれも利用可能である。かかる蛋白質合成法は、より詳しくは 、アミノ酸配列情報に基づいて、各アミノ酸を1個ずつ逐次結合させて鎖を延長させてい くいわゆるステップワイズエロンゲーション法と、アミノ酸数個からなるフラグメントを 予め合成し、次いで各フラグメントをカップリング反応させるフラグメントコンデンセー ション法とを包含する。Dlgの合成は、そのいずれによっても行うことができる。上記 蛋白質合成法において利用される縮合法も常法に従うことができる。縮合法として、例え は、アジド法、混合酸無水物法、DCC法、活性エステル法、酸化還元法、DPPA(ジ フェニルホスホリルアジド)法、DCC+添加物(1-ヒドロキシベンゾトリアゾール、 N - ヒドロキシサクシンアミド、<math>N - ヒドロキシー 5 - ノルボルネンー 2 , 3 - ジカルボキシイミド等)法、ウッドワード法等が例示できる。化学合成により得られるDlgはさ らに、上記のような慣用の各種精製方法により適宜精製を行うことができる。あるいは、 Dlgは、Dlg遺伝子の塩基配列情報に基づいて一般的遺伝子工学的手法(村松正實編 、 「 ラボマニュアル遺伝子工学 」、 1 9 8 8 年、丸善株式会社; エールリッヒ (E h r l i c h , H . A .)編、「P C R テクノロジー, D N A 増幅の原理と応用」、1989年 、ストックトンプレス;およびウルマー(U 1 m e r , K . M .)、「サイエンス(S c i e n c e) 」、1 9 8 3 年、第 2 1 9 巻、p. 6 6 6 - 6 7 1 等を参照)により取得可 能である。例えば、D1g遺伝子を含有する組換えベクターを導入した形質転換体を用い てDlgの発現誘導を行い、その後該形質転換体からDlgを回収することにより、Dl gを取得できる。さらに、所望により、形質転換体を培養した培養液または形質転換体か ら、上記単離精製方法によりDlgを精製することができる。Dlg遺伝子を含有する組 換えベクターを導入した形質転換体において、 D 1 g が形質転換体の細胞内あるいは細胞 膜上に発現する場合には、形質転換体を破砕してDlgを抽出する。Dlgが形質転換体 外に分泌される場合には、培養液をそのまま使用するか、遠心分離処理等により形質転換 体を除去した培養液を用いる。さらに、所望により、形質転換体を培養した培養液または 形質転換体から、上記単離精製方法によりDlgを精製することができる。また、Dlg 遺伝子を導入した組換えベクターを用いて、公知の無細胞蛋白質発現系を用いて、Dlg を得ることもできる(マディン(Madin, K.)ら、「プロシーディングス オブ ザ ナショナル アカデミー オブ サイエンシズ オブ ザ ユナイテッド ステーツ オブ アメリカ (Proceedings of The National Aca demy of Sciences of The United States of America)」、2000年、第97巻、p. 559-564)。

[0023]

Dlg遺伝子は、Dlgの発現が確認されている適当な起源から、常法に従って cDN Aライブラリーを調製し、該cDNAライブラリーから所望のクローンを選択することに より取得可能である。cDNAの起源としては、Dlgの発現が確認されている各種の細 胞や組織、またはこれらに由来する培養細胞を例示できる。Dlgは種々の組織や細胞で 普遍的に発現しているため、CDNAの起源として様々な組織や細胞を使用できる。好ま しくは、脳組織、皮膚組織または大腸組織等、あるいはこれら組織由来の細胞等が例示で きる。これら起源からcDNAライブラリーを調製するための全RNAの分離、mRNA の分離や精製、CDNAの取得とそのクローニング等はいずれも常法に従って実施可能で ある。また、ヒトの脳、胎児脳および脳海馬由来の市販されているpolyA+RNAか らcDNAライブラリーを構築して用いることもできる。cDNAライブラリーから所望 のクローンを選択する方法も特に制限されず、慣用の方法を利用できる。例えば、D1g 遺伝子に選択的にハイブリダイゼーションするプローブやプライマー等を用いて所望のク ローンを選択することができる。具体的には、Dlg遺伝子に選択的にハイブリダイゼー ションするプローブを用いたプラークハイブリダイゼーション法、コロニーハイブリダイ ゼーション法等やこれらを組合せた方法等を例示できる。ここで用いるプローブやプライ マーとしては、D1g遺伝子の配列情報に基づいて化学合成したポリヌクレオチド等が一 般的に使用できる。D1g遺伝子として具体的には例えば、配列表の配列番号1に記載の 塩基配列で表されるヒト由来DNA、または配列番号3に記載の塩基配列で表わされるマ ウス由来DNAが好ましく例示できる。Dlg遺伝子は配列番号1または3に記載の塩基 配列で表されるDNAに限定されず、該DNAを含むDNA、または該DNAと約70% 以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、さらに好ましくは約95 %以上の相同性を有するDNAであることができる。あるいは、該塩基配列において1個 以上、例えば1乃至100個、好ましくは1乃至30個、より好ましくは1乃至20個、 さらに好ましくは1乃至10個、特に好ましくは1乃至数個のヌクレオチドの欠失、置換 、付加または挿入といった変異が存する塩基配列またはその相補的塩基配列で表わされる DNAが包含される。変異の程度およびそれらの位置等は、該変異を有するDNAがsF RPの発現および/または機能を増強する機能を有する蛋白質をコードするDNAである 限り特に制限されない。かかる変異を有するDNAは、天然に存在するDNAであってよ く、誘発変異を有するDNAであってよい。また、天然由来の遺伝子に基づいて変異を導 入して得たDNAであってもよい。変異を導入する方法は自体公知であり、例えば、部位 特異的変異導入法、遺伝子相同組換え法、プライマー伸長法またはPCR等を、単独でま たは適宜組合せて用いることができる。例えば成書に記載の方法(村松正實編、「ラボマ ニュアル遺伝子工学」、1988年、丸善株式会社;およびエールリッヒ(Ehrlic h, H. A.)編、「PCRテクノロジー, DNA増幅の原理と応用」、1989年、ス トックトンプレス〕に準じて、あるいはそれらの方法を改変して実施することができ、ウ ルマーの技術(ウルマー(Ulmer,K.M.)、「サイエンス(Science)」 、 1 9 8 3 年、第 2 1 9 巻、 p . 6 6 6 - 6 7 1 **)** を利用することもできる。

$[0\ 0\ 2\ 4\]$

D1g遺伝子を含有する組換えベクターは、上記方法により取得したD1g遺伝子を適当なベクターDNAに挿入することにより得ることができる。ベクターDNAは宿主中で複製可能であり、D1gの発現を可能にするベクターDNAであれば特に限定されず、宿主の種類および使用目的により適宜選択される。ベクターDNAは、天然に存在するDNAを抽出して得られたベクターDNAの他、複製に必要な部分以外のDNAの部分が一部欠落しているベクターDNAでもよい。代表的なベクターDNAとして例えば、プラスミド、バクテリオファージおよびウイルス由来のベクターDNAを挙げることができる。プラスミド DNAとしては、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミド、酵母由来のプラスミド等を例示できる。バクテリオファージ DNAとしては、入ファージ等が挙げられる。ウイルス由来のベクターDNAとしては例えばレトロウイルス、ワクシニアウイルス、アデノウイルス、バボバウイルス、SV40、鶏痘ウイルス、および仮性狂犬病ウ

```
イルス等の動物ウイルス由来のベクター、あるいはバキュロウイルス等の昆虫ウイルス由
来のベクターが挙げられる。その他、トランスポゾン由来、挿入エレメント由来、酵母染
色体エレメント由来のベクターDNA等を例示できる。あるいは、これらを組合せて作成
したベクターDNA、例えばプラスミドおよびバクテリオファージの遺伝学的エレメント
を組合せて作成したベクターDNA(コスミドやファージミド等)を例示できる。ベクタ
ーDNAには、Dlg遺伝子の機能が発揮されるように遺伝子を組込むことが必要であり
、少なくともDlg遺伝子とプロモーターとをその構成要素とする。これら要素に加えて
、所望によりさらに、複製そして制御に関する情報を担持した遺伝子配列を組合せて自体
公知の方法によりベクターDNAに組込むことができる。かかる遺伝子配列として、例え
は、リボソーム結合配列、ターミネーター、シグナル配列、エンハンサー等のシスエレメ
ント、スプライシングシグナル、および選択マーカー(ジヒドロ葉酸還元酵素遺伝子、ア
ンピシリン耐性遺伝子、ネオマイシン耐性遺伝子等)等を例示できる。これらから選択し
た1種類または複数種類の遺伝子配列をベクターDNAに組込むことができる。ベクター
DNAにD1g遺伝子を組込む方法は、自体公知の方法を適用できる。例えば、D1g遺
伝子を適当な制限酵素により処理して特定部位で切断し、次いで同様に処理したベクター
DNAと混合し、リガーゼにより再結合する方法が用いられる。あるいは、Dlg遺伝子
に適当なリンカーをライゲーションし、これを目的に適したベクターのマルチクローニン
グサイトへ挿入することによっても、所望の組換えベクターが得られる。D1g遺伝子を
組込んだベクターDNAにより、宿主を形質転換して得られる形質転換体は、D1g遺伝
子がコードする蛋白質の製造に有用である。宿主としては、原核生物および真核生物のい
ずれも用いることができる。原核生物としては、例えば大腸菌(エシェリヒアコリ(Es
cherichia coli) )等のエシェリヒア属、枯草菌等のバシラス属、シュー
ドモナスプチダ(Pseudomonas putida)等のシュードモナス属、リゾ
ビウムメリロティ(Rhizobium meliloti)等のリゾビウム属に属する
細菌が挙げられる。真核生物としては、酵母、昆虫細胞および哺乳動物細胞等の動物細胞
を例示できる。酵母は、サッカロミセス・セレビシエ(Saccharomyces c
erevisiae)、シゾサッカロミセスポンベ(Schizosaccharomy
ces pombe)等が挙げられる。昆虫細胞は、Sf9細胞やSf21細胞等を例示
できる。哺乳動物細胞は、サル腎由来細胞(COS細胞、Vero細胞等)、チャイニー
ズハムスター卵巣細胞(CHO細胞)、マウスL細胞、ラットGH3細胞、ヒトFL細胞
や 2 9 3 E B N A 細胞等が例示できる。好ましくは哺乳動物細胞を用いる。ベクター D N
Aの宿主細胞への導入は、自体公知の手段が応用され、例えば成書に記載されている標準
的な方法(村松正實編、「ラボマニュアル遺伝子工学」、1988年、丸善株式会社)に
より実施できる。より好ましい方法としては、遺伝子の安定性を考慮するならは染色体内
へのインテグレート法が挙げられるが、簡便には核外遺伝子を利用した自律複製系を使用
できる。具体的には、リン酸カルシウムトランスフェクション、DEAE一デキストラン
媒介トランスフェクション、マイクロインジェクション、陽イオン脂質媒介トランスフェ
クション、エレクトロポレーション、形質導入、スクレープ負荷(scrape loa
ding)、バリスティック導入(ballistic introduction)お
よび感染等が挙げられる。原核生物を宿主とする場合、組換えベクターが該原核生物中で
自律複製可能であると同時に、プロモーター、リボゾーム結合配列、D1g遺伝子、転写
終結配列により構成されていることが好ましい。また、プロモーターを制御する遺伝子が
含まれていてもよい。細菌を宿主とする場合、プロモーターとしては大腸菌等の細菌中で
発現できるプロモーターであればいずれも利用可能である。 例えば、 trp プロモーター
、lacプロモーター、PLプロモーター、PRプロモーター等の、大腸菌やファージに
由来するプロモーターが用いられる。tacプロモーター等の人為的に設計改変されたプ
ロモーターを用いてもよい。細菌への組換えベクターの導入方法としては、細菌にDNA
を導入する方法であれば特に限定されず、いずれも利用可能である。好ましくは例えば、
カルシウムイオンを用いる方法、エレクトロポレーション法等を利用できる。哺乳動物細
胞を宿主とする場合、組換えベクターが該細胞中で自律複製可能であると同時に、プロモ
```

ーター、RNAスプライス部位、Dlg遺伝子、ポリアデニル化部位、転写終結配列によ り構成されていることが好ましい。また、所望により複製起点が含まれていてもよい。プ ロモーターとしては $SR\alpha$ プロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、 CMVプロモーター等が用いられ、また、サイトメガロウイルスの初期遺伝子プロモータ ー等を用いてもよい。哺乳動物細胞への組換えベクターの導入方法としては、好ましくは 例えば、エレクトロポレーション法、リン酸カルシウム法、リポフェクション法等を利用 できる。最も好ましくは、リポフェクション法を用いる。酵母を宿主とする場合、プロモ ーターとしては酵母中で発現できるプロモーターであれば特に限定されず、例えば、ga 11プロモーター、ga110プロモーター、ヒートショック蛋白質プロモーター、MF ADHプロモーター、AOX1プロモーター等が挙げられる。酵母への組換えベクターの 導入方法としては、酵母にDNAを導入する方法であれば特に限定されず、好ましくは例 えば、エレクトロポレーション法、スフェロプラスト法、酢酸リチウム法等を利用できる 。昆虫細胞を宿主とする場合、組換えベクターの導入方法としては、好ましくは例えば、 リン酸カルシウム法、リポフェクション法、エレクトロポレーション法等を利用できる。

[0025]

DlgによるsFRPの発現および/または機能を増強する作用を有する化合物は、例 えば、Dlg遺伝子欠損非ヒト哺乳動物を用いた同定方法により取得することができる。 D 1 g 遺伝子欠損非ヒト哺乳動物として、好ましくは、D 1 g 遺伝子へテロ欠損非ヒト哺 乳動物、より好ましくはDlg遺伝子ヘテロ欠損マウスを例示できる。このような哺乳動 物に調べようとする化合物(以下、被検化合物と称する)を投与してsFRP発現を測定 し、被検化合物を投与した該哺乳動物のsFRPの発現量が被検化合物を投与しなかった 該哺乳動物と比較して増加した場合、該被検化合物はsFRPの発現を増強する作用を有 すると判定できる。このような同定方法において、D1gの発現を測定することにより、 Dlgの発現を増強する作用を有する化合物を取得することができる。このような同定方 法において、sFRPまたはDlgの発現量を測定する代わりに、sFRPまたはDlg の機能を測定し、被検化合物を投与した該哺乳動物のsFRPまたはDlgの機能が該被 検化合物を投与しなかった該哺乳動物と比較して増加した場合、該被検化合物はSFRP またはD1gの機能を増強する作用を有すると判定できる。sFRPの機能としては、W ntシグナル伝達経路を阻害する作用が挙げられる。Dlgの機能としては、例えばsF RPの発現を増強する機能が挙げられる。Dlgの発現やsFRPの発現の測定は、これ らの遺伝子の転写産物であるmRNAの測定や、該mRNAの翻訳産物である蛋白質の測 定を実施することにより達成できる。mRNAの測定方法としては、自体公知の遺伝子検 出法がいずれも使用可能である。具体的には、サザンブロット法、ノザンブロット法、N ASBA法、逆転写ポリメラーゼ連鎖反応(RT-PCR)、プラークハイブリダイゼー ション、またはコロニーハイブリダイゼーション等が例示できる。また、in situ RT-PCRやin situ ハイブリダイゼーション等を利用した細胞レベルでの 測定による検出方法も利用可能である。このような遺伝子検出法においては、遺伝子の測 定の実施に、該遺伝子の部分配列からなるオリゴヌクレオチドであってプローブとしての 性質を有するものまたはプライマーとしての性質を有するものが有用である。プローブと しての性質を有するオリゴヌクレオチドとは、該遺伝子のみに特異的にハイブリダイゼー ションできる該遺伝子特有の配列からなるものを意味する。プライマーとしての性質を有 するものとは該遺伝子のみを特異的に増幅できる該遺伝子特有の配列からなるものを意味 する。プローブまたはプライマーとしては、塩基配列長が一般的に5乃至50ヌクレオチ ド程度であるものが好ましく、10乃至35ヌクレオチド程度であるものがより好ましく 、15乃至30ヌクレオチド程度であるものがさらに好ましい。プローブは、通常は標識 したプローブを用いるが、非標識であってもよい。また、直接的または間接的に標識した リガンドとの特異的結合により検出してもよい。プローブおよびリガンドを標識する方法 は、種々の方法が知られており、例えばニックトランスレーション、ランダムプライミン グまたはキナーゼ処理を利用する方法等を例示できる。適当な標識としては、放射性同位

体、ビオチン、蛍光物質、化学発光物質、酵素、抗体等が挙げられる。遺伝子検出法とし ては、PCRが感度の点から好ましい。PCRは、D1g遺伝子またはsFRP遺伝子を 特異的に増幅できるプライマーを用いる方法である限り、従来公知の方法のいずれも使用 可能である。例えばRT-PCRが例示できるが、その他、当該分野で用いられる種々の PCRの変法を適応することができる。PCRにより、遺伝子の検出の他に、遺伝子の定 量も可能である。かかる分析方法としては、MSSA法等の競合的定量法、または一本鎖 DNAの高次構造の変化に伴う移動度の変化を利用した突然変異検出法として知られるP CR-SSCP法を例示できる。一方、DlgまたはsFRPの測定は、慣用技術による 蛋白質検出法あるいは定量法を用いて行うことができる。例えば、DlgまたはsFRP に対する特異抗体を用いて免疫沈降を行い、ウェスタンブロット法またはイムノブロット 法により、DlgまたはsFRPの測定が可能である。また、DlgまたはsFRPに対 する抗体により、免疫組織化学的技術を用いてバラフィンまたは凍結組織切片中のDlg またはsFRPを検出可能である。DlgまたはsFRPを検出する方法の好ましい具体 例としては、モノクローナル抗体および/またはポリクローナル抗体を用いるサンドイツ チ法を含む、酵素免疫測定法(ELISA)、放射線免疫検定法(RIA)、免疫放射線 検定法(IRMA)、および免疫酵素法(IEMA)等が挙げられる。その他、ラジオイ ムノアッセイや競争結合アッセイ等を利用することもできる。他方、D1gの機能の測定 は、DlgがsFRPの発現を増強することから、例えばsFRPの発現や機能を測定す ることにより達成できる。また、sFRPの機能の測定は、sFRPがWntと結合する ことによりWntシグナル活性化の阻害作用を示すことから、例えば、該結合または該阻 害作用を測定することにより達成できる。sFRPとWntとの結合の測定は、慣用のバ インディングアッセイにより実施できる。Wntシグナルの活性化の阻害作用は、Wnt シグナルの活性化により増加するβーカテニンの発現を測定し、その発現が阻害されるこ とを検出することにより測定できる。β-カテニンの発現は、上記 D 1 g の発現の測定方 法と同様の方法により測定できる。

[0026]

D1g遺伝子へテロ欠損非ヒト哺乳動物を用いて、また、腫瘍形成を阻害する化合物を同定することができる。このような哺乳動物に被検化合物を投与して腫瘍が形成されたか否かを測定し、被検化合物を投与した該哺乳動物における腫瘍形成が被検化合物を投与しなかった該哺乳動物と比較して低減または消失した場合、該被検化合物は腫瘍形成を阻害すると判定できる。腫瘍が形成されたか否かの測定は、簡便には形成された腫瘍または腫瘍が形成された組織のサイズや重量等を測定することにより実施できる。

$[0\ 0\ 2\ 7]$

被検化合物の投与経路は、全身投与または局所投与のいずれも選択可能である。例えば、非経口経路として、通常の静脈内投与または動脈内投与を挙げることができる。あるいは経口による投与も可能である。被検化合物としては、例えば化学ライブラリーや天然物由来の化合物等が挙げられる。

[0028]

上記化合物の同定方法は、Dlg遺伝子へテロ欠損非ヒト哺乳動物を用いるかわりに、該哺乳動物由来の細胞を用いて実施可能である。該細胞は、Dlg対立遺伝子の一方が欠失していること、またはDlgの発現および/または機能が低下していることが確認された細胞であることが好ましい。Dlg対立遺伝子の遺伝子型の解析は、例えば、後述するようにPCRまたはサザンブロット法により実施できる。好ましい細胞として、胚性線維芽細胞を例示できる。さらに、上記哺乳動物由来の細胞は、自体公知の方法により永久増殖して、本同定方法に使用することも可能である。細胞を用いる同定方法においては、細胞と被検化合物を接触させ、その後、該細胞内におけるDlgの発現を測定し、被検化合物を接触させた該細胞のDlg発現量が被検化合物を接触させなかった該細胞と比較して増加した場合、該被検化合物はDlgの発現を増強する作用を有すると判定できる。また、このとき、Dlgの発現を測定する代わりに、Dlgの機能を測定し、被検化合物を接触させなかった該細胞と比較して増加

した場合、該被検化合物はD1gの機能を増強する作用を有すると判定できる。このような同定方法において、sFRPの発現および/または機能を測定することにより、sFRPの発現および/またはを増強する作用を有する化合物を得ることができる。sFRPの発現を増強する作用を有する化合物の同定方法は、D1g遺伝子へテロ欠損非ヒト哺乳動物由来の細胞の代わりに、D1g遺伝子ホモ欠損非ヒト哺乳動物由来の細胞を用いて実施することも可能である。

[0029]

Dlg遺伝子欠損非ヒト哺乳動物由来の細胞を用いて、さらに、sFRP遺伝子のメチ ル化を阻害する作用および/またはsFRP遺伝子を脱メチル化する作用を有する化合物 の同定方法を実施可能である。「sFRP遺伝子のメチル化を阻害する作用」とは、DN AメチルトランスフェラーゼによるsFRP遺伝子中のシトシン塩基へのメチル基付加を 阻害する作用をいう。「sFRP遺伝子を脱メチル化する作用」とは、sFRP遺伝子中 のシトシン塩基に付加されたメチル基を取り去る作用をいう。このような同定方法には、 Dlg遺伝子ホモ欠損非ヒト哺乳動物およびDlg遺伝子へテロ欠損非ヒト哺乳動物のい ずれに由来する細胞も使用可能である。Dlg遺伝子ホモ欠損マウスにおいては、該遺伝 子へテロ欠損マウスと比較して、sFRPの発現および/または機能の低下が著しいこと から、このような同定方法には、D1g遺伝子ホモ欠損非ヒト動物由来の細胞の使用が好 ましく推奨される。より好ましくは、Dlg遺伝子ホモ欠損マウス由来の細胞を使用した 同定方法が推奨される。細胞と被検化合物を接触させ、その後、該細胞内におけるsFR P遺伝子のメチル化を測定し、被検化合物を接触させた該細胞におけるsFRP遺伝子の メチル化量が被検化合物を接触させなかった該細胞におけるsFRP遺伝子のメチル化量 と比較して減少した場合、該被検化合物はsFRP遺伝子のメチル化を阻害する作用およ び/またはsFRP遺伝子を脱メチル化する作用を有すると判定できる。sFRP遺伝子 のメチル化の測定は、自体公知の方法により実施できる。例えば、亜硫酸水素塩シークエ ンス法(スズキ(Suzuki,H.)ら、「ネイチャー ジェネティクス(Natur Genetics)」、2002年、第31巻、p. 141-149)、マイクロア レイを用いたDMH (differential methylation hybri dization)法(ヤン(Yan, P.S.)ら、「クリニカル キャンサー リサ ーチ(Clinical Cancer Research)」、2000年、第6巻、 p. 1432-1438)、蛍光色素を用いたリアルタイムPCR法であるメチルライト 法 (トリン (Trinh.B.N.) ら、「メソッズ (Methods) 」、2001年 、第25巻、p. 456-462**)**等の方法が例示できる。

[0030]

Dlg遺伝子欠損非ヒト哺乳動物は、Dlg遺伝子を人為的に欠損させ、Dlgの発現 を消失または低下させた、ヒトを含まない哺乳動物をいう。非ヒト哺乳動物とて、マウス 、ラット、ハムスター、モルモット、ウシ、ブタ、ヤギ等が挙げられるが、その中で、個 体発生および生物サイクルが比較的短く、また繁殖が容易なげっ歯類、より好ましくはマ ウスを例示できる。D1g遺伝子欠損非ヒト哺乳動物は、例えはジーンターゲティング法 等の遺伝子工学的手法を利用して、染色体のDlg遺伝子を任意に変換させることにより 作製できる【「ジーンターゲティング:ア プラクティカル アプローチ(プラクティカ ル アプローチ シリーズ 212) (Gene targeting:a pract ical approach (Practical Approach Series 2 1 2) **)** 」、第 2 版 、 2 0 0 0 年 、ジョイヤー、アレクサンドラ(J o y e r , A l e x a n d r a L.)編、出版:オックスフォードユニバーシティープリント (O x f o rd University Print)等]。ジーンターゲティング法では、まず、 ゲノムライブラリーより単離したクローンをもとに、発現能を有さないD1g遺伝子を含 むコンストラクト(ターゲティングベクター)を作製し、胚性幹細胞(Embryoni c Stem Cell;以下、ES細胞と略称することもある)に遺伝子導入し、相同 組換えが生じたDlg遺伝子変異クローンを得る。「発現能を有さないDlg遺伝子」と は、Dlgの発現を阻害するような変異、または該遺伝子がコードする蛋白質の機能を喪

失させるような変異を加えたDlg遺伝子を意味する。Dlg遺伝子への変異の導入は、 公知の遺伝子工学的手法により、Dlg遺伝子の塩基配列の一部または全部の除去や別の 遺伝子の挿入または置換を行なうことにより実施できる。このような変異の導入の結果、 プロモーターまたはエキソンの機能の破壊、あるいはコドンの読み取り枠がずれることに より、D1gの発現が低下あるいは消失したノックアウトマウスが作製できる。プロモー ターまたはエキソンの機能の破壊するために導入する遺伝子としては、薬剤耐性遺伝子等 、例えばネオマイシン耐性遺伝子、ハイグロマイシン耐性遺伝子、好ましくはネオマイシ ン耐性遺伝子が例示できる。ここに例示した遺伝子以外に、ジーンターゲティング法で一 般的に用いられている遺伝子は、いずれも使用可能である。ES細胞は、非ヒト哺乳動物 の胚盤胞から樹立できる。例えば、マウスのES細胞として、C57BL/6マウスとC BA/JNCrjマウスの間の雑種第一代胚盤胞から樹立したTT2 ES細胞を例示で きる。ターゲティングベクターを遺伝子導入したES細胞からの、相同組換えが生じたD 1 g遺伝子変異クローンの選別は、ターゲティングベクターを遺伝子導入したクローンに ついて、その遺伝子型を解析することにより実施できる。遺伝子型の解析は、PCRまた はサザンブロッティング法により行なうことができる。PCRにおいては、プライマーと してターゲティングベクター中のDlg遺伝子の部分塩基配列からなるオリゴヌクレオチ ドおよびプロモーターまたはエキソンの機能を破壊するために導入した遺伝子の部分配列 からなるオリゴヌクレオチドを使用することにより、Dlg遺伝子の欠失を検出すること ができる。サザンブロッティング法においては、Dlg遺伝子またはその近傍のDNA配 列をプローブとして用いて検出されたDNAのサイズにより、D1g遺伝子の欠失を検出 することができる。あるいは、ターゲティングベクターの作製に上記薬剤耐性遺伝子を用 いた場合には、変異クローンの薬剤耐性を利用して、該変異クローンを容易に選別するこ とができる。このようにして得られたDlg遺伝子変異クローンを非ヒト哺乳動物の受精 卵の胚盤胞(blastocyst)または8細胞期胚に注入し、偽妊娠状態にした同種 の非ヒト哺乳動物の子宮に移植することで、正常なDlg遺伝子座をもつ細胞と変異した Dlg遺伝子座をもつ細胞とから構成されるキメラ個体が得られる。キメラ個体を野生型 個体と交配させることで相同染色体の一方に変異が導入された個体(ヘテロ欠損個体)ま たは相同染色体の両方に変異が導入された個体(ホモ欠損個体)を得ることができる。一 般的には、該交配により、ヘテロ欠損個体が得られる。ホモ欠損個体は、ヘテロ遺伝子欠 損個体同志の交配により得ることができる。

$[0\ 0\ 3\ 1]$

上記同定方法により得られたDlgの発現および/または機能を増強する作用を有する 化合物は、D1gの発現増強剤および/または機能増強剤、sFRPの発現増強剤および /または機能増強剤、抗腫瘍剤、あるいは腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤の有効 成分として使用できる。上記化合物の同定方法により得られたsFRPの発現および/ま たは機能を増強する作用を有する化合物は、抗腫瘍剤、あるいは腫瘍疾患の防止剤および /または治療剤として使用できる。上記化合物の同定方法により得られた腫瘍形成を阻害 する化合物は、腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤として使用できる。また、上記同 定方法により得られたsFRPのメチル化を阻害する作用および/または脱メチル化する 作用を有する化合物は、sFRPのメチル化阻害剤および/または脱メチル化剤、sFR Pの発現増強剤および/または機能増強剤、抗腫瘍剤、あるいは腫瘍疾患の防止剤および /または治療剤の有効成分として使用できる。これら薬剤は、D1gが関与する腫瘍形成 抑制機序の解明、並びに腫瘍疾患の防止、または治療に有用である。また、上記化合物を 少なくとも1つを用いて、D1gの発現増強方法および/または機能増強方法、sFRP のメチル化阻害方法および/または脱メチル化方法、sFRPの発現増強方法および/ま たは機能増強方法、腫瘍形成阻害方法、あるいは腫瘍疾患の防止方法および/または治療 方法の実施が可能である。例えば、sFRPの発現増強方法および/または機能増強方法 は、上記化合物の少なくとも1つを対象に投与する、あるいは、対象由来の細胞または培 養細胞株等にインビトロで(in Vitro)接触させることにより実施できる。腫瘍 形成阻害方法あるいは腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法は、例えば、上記化合 物の少なくとも1つを対象に投与することにより実施できる。

[0032]

Dlgの発現増強剤および/または機能増強剤、sFRPのメチル化阻害剤および/ま たは脱メチル化剤、sFRPの発現増強剤および/または機能増強剤、抗腫瘍剤、あるい は腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤は、通常は、1種または2種以上の医薬上許容 される担体(医薬用担体)を用いて医薬組成物として製造することが好ましい。これら薬 剤は、単独で使用することもできるし、複数を組合せて使用することも可能である。医薬 製剤中に含まれる有効成分の量は、広範囲から適宜選択される。通常、約0.00001 乃至70重量%、好ましくは0.0001乃至5重量%程度の範囲とするのが適当である 。医薬用担体としては、製剤の使用形態に応じて通常使用される、充填剤、増量剤、結合 剤、付湿剤、崩壊剤、表面活性剤、滑沢剤等の希釈剤や賦形剤等を例示でき、これらは得 られる製剤の投与形態に応じて適宜選択使用される。例えば水、医薬的に許容される有機 溶剤、コラーゲン、ポリビニルアルコール、ポリビニルピロリドン、カルボキシビニルポ リマー、アルギン酸ナトリウム、水溶性デキストラン、カルボキシメチルスターチナトリ ウム、ペクチン、キサンタンガム、アラビアゴム、カゼイン、ゼラチン、寒天、グリセリ ン、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール、ワセリン、パラフィン、ステアリ ルアルコール、ステアリン酸、ヒト血清アルブミン、マンニトール、ソルビトール、ラク トース等が挙げられる。これらは、所望の剤形に応じて適宜1種類または2種類以上を組 合せて使用される。所望により、通常の蛋白質製剤に使用され得る各種の成分、例えば安 定化剤、殺菌剤、緩衝剤、等張化剤、キレート剤、pH調整剤等を適宜使用して調製する こともできる。安定化剤としては、例えばヒト血清アルブミンや通常のLーアミノ酸、糖 類、セルロース誘導体等を例示できる。これらは単独でまたは表面活性剤等と組合せて使 用できる。特にこの組合せによれば、有効成分の安定性をより向上させ得る場合がある。 上記L一アミノ酸は、特に限定はなく、例えばグリシン、システイン、グルタミン酸等の いずれでもよい。糖類も特に限定はなく、例えはグルコース、マンノース、ガラクトース 、果糖等の単糖類、マンニトール、イノシトール、キシリトール等の糖アルコール、ショ 糖、マルトース、乳糖等の二糖類、デキストラン、ヒドロキシプロピルスターチ、コンド ロイチン硫酸、ヒアルロン酸等の多糖類等およびそれらの誘導体等のいずれでもよい。セ ルロース誘導体も特に限定はなく、メチルセルロース、エチルセルロース、ヒドロキシエ チルセルロース、ヒドロキシプロピルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース 、カルボキシメチルセルロースナトリウム等のいずれでもよい。表面活性剤も特に限定は なく、イオン性および非イオン性表面活性剤のいずれも使用できる。これには、例えばポ リオキシエチレングリコールソルビタンアルキルエステル系、ポリオキシエチレンアルキ ルエーテル系、ソルビタンモノアシルエステル系、脂肪酸グリセリド系等が包含される。 緩衝剤としては、ホウ酸、リン酸、酢酸、クエン酸、εーアミノカプロン酸、グルタミン 酸および/またはそれらに対応する塩(例えばそれらのナトリウム塩、カリウム塩、カル シウム塩、マグネシウム塩等のアルカリ金属塩やアルカリ土類金属塩)等を例示できる。 等張化剤としては、例えば塩化ナトリウム、塩化カリウム、糖類、グリセリン等を例示で きる。キレート剤としては、例えばエデト酸ナトリウム、クエン酸等を例示できる。

[0033]

上記薬剤および医薬組成物は、溶液製剤として使用できる。その他、これを凍結乾燥化 し保存し得る状態にした後、用時、水や生埋的食塩水等を含む緩衝液等で溶解して適当な 濃度に調製した後に使用することも可能である。

$[0\ 0\ 3\ 4\]$

上記薬剤または医薬組成物の用量範囲は特に限定されず、含有される成分の有効性、投与形態、投与経路、疾患の種類、対象の性質(体重、年齢、病状および他の医薬の使用の有無等)、および担当医師の判断等に応じて適宜選択される。一般的には適当な用量は、例えば対象の体重 1 k g あたり約 0 . 0 1 μ g 0 0 m g 程度、好ましくは約 0 . 1 μ g 0 0 1 m g 程度の範囲であることが好ましい。しかしながら、当該分野においてよく知られた最適化のための一般的な常套的実験によりこれら用量の変更を行うことができる

。上記投与量は1日1乃至数回に分けて投与することができ、数日または数週間に1回の割合で間欠的に投与してもよい。

[0035]

上記薬剤または医薬組成物が適用できる疾患としては、DlgによるsFRPの発現お よびまたは機能の、低下または消失に起因する疾患、例えば腫瘍疾患が挙げられる。腫瘍 疾患に適用する場合、対象となる腫瘍の種類は特に限定されず、固形腫瘍または非固形腫 傷のいずれにも適用可能である。Dlgは種々の組織や細胞において普遍的に発現してい ることから、Dlgの発現異常や変異等によるDlg機能の低下は、多くの組織や細胞に おいて腫瘍形成を誘発すると考えられる。したがって、固形腫瘍または非固形腫瘍の種類 も特に限定されず、いずれの腫瘍において適用できる。例えば、胃癌、食道癌、大腸癌、 小腸癌、十二指腸癌、肺癌、肝臓癌、胆嚢癌、膵臓癌、腎臓癌、膀胱癌、口腔癌、骨癌、 皮膚癌、乳癌、子宮癌、前立腺癌、脳腫瘍、神経芽腫等の固形腫瘍、あるいは白血病や悪 性リンパ腫等の非固形腫瘍等を挙げることができる。好ましくは、Dlgの発現低下およ び/または機能の低下、あるいはDlg遺伝子やDlgの変異が認められる腫瘍に適用す ることが推奨される。より好ましくは、Dlg+/ーマウスにおいて皮膚癌およびリンパ 腫が形成されたことから、皮膚癌およびリンパ腫に適用することが推奨される。上記薬剤 または医薬組成物を投与するときには、該薬剤または該医薬組成物を単独で使用してもよ く、あるいは該薬剤または該医薬組成物の適用対象である疾患の防止または治療に必要な 他の化合物または医薬と併用してもよい。例えば、上記薬剤または医薬組成物を腫瘍疾患 の防止方法または治療方法に用いるときに、該薬剤または該医薬組成物とは別種の、腫瘍 疾患の防止剤または治療剤を併用することが可能である。

[0036]

投与経路は、全身投与または局所投与のいずれも選択することができる。この場合、疾患、症状等に応じた適当な投与経路を選択する。例えば、非経口経路として、通常の静脈内投与、動脈内投与の他、皮下、皮内、筋肉内等への投与を挙げることができる。あるいは経口による投与も可能である。さらに、経粘膜投与または経皮投与も可能である。また、腫瘍疾患に適用する場合は腫瘍に注射等により直接投与することもできる。

$[0\ 0\ 3\ 7]$

投与形態としては、各種の形態が治療目的に応じて選択でき、その代表例として、錠剤、丸剤、散剤、粉末剤、細粒剤、顆粒剤、カプセル剤等の固体投与形態や、水溶液製剤、エタノール溶液製剤、懸濁剤、脂肪乳剤、リポソーム製剤、シクロデキストリン等の包接体、シロップ、エリキシル等の液剤投与形態が含まれる。これらは更に投与経路に応じて経口剤、非経口剤(点滴剤、注射剤)、経鼻剤、吸入剤、経膣剤、坐剤、舌下剤、点眼剤、点耳剤、軟膏剤、クリーム剤、経皮吸収剤、経粘膜吸収剤等に分類され、それぞれ通常の方法に従い、調合、成形、調製することができる。

[0038]

D1gの発現および/または機能を増強するために、D1g遺伝子または該遺伝子を含有する遺伝子導入用べクターを有効成分として含む遺伝子が導入された細胞を有効成分として含む遺伝子治療剤であることもできる。遺伝子が導入された細胞を有効成分として調製することが好ましい。遺伝子治療剤が、遺伝子が導えが明光として調製することが好ましい。遺伝子治療剤が、遺伝子が導えれた細胞を含む形態に調製される場合は、該細胞をリン酸緩衝化生理食塩水(pH7. は、リンゲル液、細胞内組成液用注射剤中に配合した形態等に調製とせらできる。は、1015月は数回に投与される場方は、1015月は大力である。は、1015月には例えばレクリーであれば1日あたり体重1kgあたりレトロウイルスの力価として約1×103 pf u であれば1日あたり体重1kgあたりレトロウイルスの力価として約1×105 pf u 程度とするのがよい。また、製剤中の有効成分が所望の遺伝である場合は、細胞数1×104/ヒトから1×10¹⁵/ヒト程度の範入された細胞である場合は、細胞数1×104/ヒトから1×10¹⁵/ヒト程度の範

囲から選ばれるのが適当である。遺伝子治療剤を用いる治療法は、上記遺伝子を直接体内 に導入するインビボ法と、患者の体内より標的とする細胞を一旦取り出して体外で遺伝子 を導入して、その後、該細胞を体内に戻すエクスビボ法の両方の方法を包含する。インビ ボ法がより好ましい。遺伝子の体内または細胞内への導入法としては、非ウイルス性のト ランスフェクション法、あるいはウイルスベクターを利用したトランスフェクション方法 のいずれも適用することができる。非ウイルス性のトランスフェクション法は、ウイルス ベクターを利用した方法と比較して、安全性および簡便性の点で優れておりかつ安価であ るためより好ましい。非ウイルス性のトランスフェクション法としては、例えば、リン酸 カルシウム共沈法;プラスミドDNAを直接インビボで標的組織に注入するネイキッドD NA法;多重膜正電荷リポソームに封入した遺伝子を細胞に導入するカチオニックリポソ ーム法;プラスミドDNAを金でコートして高圧放電によって物理的に細胞内にDNAを 導入する所謂遺伝子銃と呼ばれる方法;DNAを封入したリポソームと不活化センダイウ イルスを融合させて作成した膜融合リポソームを用いる膜融合リポソーム法;標的組織ま たは標的細胞に発現する受容体に結合するリガンドとDNAとの結合体を用いるリガンド - D N A 複合体法; D N A を封入したリポソームの表面に標的組織または標的細胞表面に 結合する抗体を結合させたイムノリポソームを用いるイムノリポソーム法等が挙げられる 。その他、ポリマーやペプチド等を用いるトランスフェクション法が知られている。非ウ イルス性のトランスフェクション法は上記例示に限定されず、ウイルスベクターを用いず に標的組織または標的細胞に遺伝子をトランスフェクションできる限りいずれの方法も使 用可能である。ウイルスベクターを使用するトランスフェクション法において、トランス フェクションに使用するベクターとしては、好ましくはレトロウイルスベクターを例示で きる。レトロウイルスベクター以外のRNAウイルスベクターやDNAウイルスベクター 、例えはアデノウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクター、ワクシニアウイルスベ クター、ヘルペスウイルスベクター等を使用することも可能である。これらウイルスベク ターを用いることにより効率良い投与が可能である。さらに、ウイルスベクターを用いる トランスフェクション法においても、該ベクターをリポソームに封入して、そのリポソー ムを投与する方法が推奨される。リポソームを用いることにより目的物質の標的細胞また は標的組織への送達を効率的に行えるため、ウイルスベクターとリポソームとの複合治療 は、高い効果を奏すると考える。また、リポソームを用いた治療において、リポソームが 比較的安定で、主要な免疫応答を生じることがないことが知られていることからも、かか る複合治療の有用性が示唆される。リポソームとしては、カチオン性脂質から製造される リポソームが好ましい。かかるトランスフェクション用ベクターの細胞への導入は、例え ばエレクトロポレーション、リン酸カルシウム共沈法、ウイルス形質導入等を始めとする 、細胞にDNAを導入する当該分野において既に知られている各種の方法に従うことがで きる。形質転換された細胞は、それ自体単離状態で医薬や、治療研究のためのモデル系と して利用することも可能である。なおトランスフェクション用ベクターの製造において、 導入される遺伝子は、D1g遺伝子の塩基配列情報に基づいて、前記の如く、一般的遺伝 子工学的手法により容易に製造・取得することができる。遺伝子を導入する標的組織およ び標的細胞は、遺伝子治療の対象により適宜選択することができる。例えば、標的細胞と して、リンパ球、線維芽細胞、肝細胞、造血幹細胞等の細胞を挙げることができるが、こ れらに制限されることはない。Dlg遺伝子の所望の機能により、目的とする疾患の改善 および/または治療が得られる限り、いずれの組織および細胞であっても導入することが 可能である。

[0039]

D1gの発現および/または機能の低下が腫瘍形成の重要な要因であることが判明したことから、D1g遺伝子および/またはD1gの発現および/または機能を検出することにより、腫瘍疾患の診断が可能である。疾患の診断は、例えば調べようとする試料(被検試料)について、D1g遺伝子および/またはD1gの発現および/または機能を測定し、正常な対照試料との比較において、該発現および/または該機能の変化を検出することを特徴とする検査方法を用いて実施できる。正常な対照試料と比較して、D1gの発現量

および/または機能が低下または消失していたとき、該試料は腫瘍組織または腫瘍細胞由来であると判定できる。被検試料は、D1g遺伝子またはその変異遺伝子の核酸を含む限りにおいて特に制限されず、生態生物由来のあらゆる組織や細胞、例えば、細胞、血液、尿、唾液、髄液、組織生検または剖検材料等の生体生物由来の試料を例示できる。あるいは所望により試料から核酸を抽出して核酸試料を調製して用いることもできる。核酸は、ゲノムDNAを検出に直接使用してもよく、あるいは分析前にPCRまたはその他の増幅法を用いることにより酵素的に増幅してもよい。RNAまたはcDNAを同様に用いてもよい。核酸試料は、また、標的配列の検出を容易にする種々の方法、例えば変性、制限消化、電気泳動またはドットブロッティング等により調製してもよい。D1gの発現および/または機能の測定は、上記方法を使用して実施可能である。

 $[0 \ 0 \ 4 \ 0]$

以下、本発明を実施例に基づき具体的に説明するが、本発明は下記の実施例に限定されない。

【実施例1】

 $[0 \ 0 \ 4 \ 1]$

Dlg ノックアウトマウスの作製

<材料および方法>

1. ターゲティングベクターの構築

マウス D 1 g(m D 1 g)のゲノム D N A を、 T T 2 ゲノムライブラリーからm D 1 g c D N A の アミノ末端領域(アミノ酸 1-1 1 2)を用いてスクリーニングすることにより単離した。単離したクローンを p B 1 u e s c r i p t I I (S t r a t a g e n e 社製)の E c o R I 部位にサブクローニングした。ターゲティングは、m D 1 g 遺伝子の B a m H I - X h o I 領域をネオマイシン耐性遺伝子と置換するように設計した。相同性のための短腕はエキソン 2 の中途の 0 . 8 k b B a m H I - C 1 a I + Y + ム 断片を、長腕は p . 5 k b C 1 a I + X h o I 断片を用いた。プロモーターおよびポリアデニレーションシグナルを連結していないネオマイシン耐性遺伝子は、m D 1 g 断片の C 1 a I 部位に、平滑末端ライゲーション(b 1 a n t + e n d 1 i g a t i o n)およびインフレーム融合(i n + f r a m e f u s i o n)により挿入した。得られたベクターは、p B 1 u e s c r i p t I I にサブクローニングし、p o t I で線状化した。

 $[0 \ 0 \ 4 \ 2]$

2. ES細胞培養およびトランスフェクション

TT2 ES細胞は、C57BL/6マウスとCBA/JNCrjマウス間の雑種第1 代(F1)胚盤胞から樹立し、フィーダー細胞上で培養した。フィーダー細胞として、胎 生14日目マウス胚から調製してマイトマイシンC(Sigma社製)処理した初生線維 芽細胞を用いた。培養培地は、下記組成の培養培地を使用した:ダルベッコ変法イーグル 培地(DMEM、NISSUI社製);15% serum replacement(Gibco BRL社製);1000U/ml leukemia inhibitor y factor (Gibco BRL社製); 0.1mM 2ーメルカプトエタノール (Sigma社製);および1×非必須アミノ酸(Gibco BRL社製)。TT2 ES細胞(0.4mlのリン酸緩衝化生理食塩水(PBS)中、細胞数2×10⁷)に、 50μgのNotIで線状化したターゲティングベクターをBio-Rad GeneP ulsar(800V、3.0mFDに設定)を用いてエレクトロポレーションによりト ランスフェクションした。得られた細胞を数枚のディッシュに播種し、150μg/ml G418を用いてポジティブセレクションを次の日から開始した。エレクトロポレーシ ョンの10日後に、コロニーを採取してトリプシン処理した。細胞縣濁液の80%は新し いフィーダー細胞上で培養し、残りの細胞縣濁液はPCR分析に用いてmDlg組換えク ローンの検出を行なった。PCRはEX taq polymerase (TaKaRa 社製)を用いて30サイクル行なった。各サイクルにおいて、94℃で1分間の変性、6 0℃で1分間のアニーリング、および72℃で3分間の重合を行なった。センスプライマ ーの配列およびアンチセンスプライマーを以下に示す。

 $[0\ 0\ 4\ 3]$

センスプライマー

5 ´ーATGCCGGTCCGGAAGCAAGA-3 ´(配列番号5) アンチセンスプライマー

5 ´一TCTTCATCCTGATACCTGTA-3 ´(配列番号6)

 $[0 \ 0 \ 4 \ 4]$

3. キメラの作製

キメラの作製は、成書(「バイオマニュアルシリーズ8 ジーンターゲティング ES細胞を用いた変異マウスの作製」、著:相沢真一、羊土社、p.119-134等)に記載の方法に従って実施した。具体的には、上記処理を施したES細胞の約10個を、1個の8細胞期ICRマウス胚にインジェクションし、その胚を偽妊娠雌マウスの子宮に移植した。得られたマウスの遺伝子型を下記方法で確認後、交配により、D1g+/+マウス、D1g+/-マウスおよびD1g-/-マウスを作製した。

[0045]

4. 野生型対立遺伝子と変異対立遺伝子の遺伝子型決定

新生児マウスおよび成熟マウスの遺伝子型をPCR分析により定期的に調査した。野生型対立遺伝子は、mDlg遺伝子のセンスオリゴヌクレオチド(5´ーGCTGTCAGTCCACAGCTAACACAGGCTACTー3´;配列番号7)およびアンチセンスオリゴヌクレオチド(5´ーTGTCCTAAGTTAAGGACCATCTAGAGAGCC-3´;配列番号8)をプライマーとして用いたPCR分析において503bpの増幅産物として検出された。変異対立遺伝子は、ネオマイシン耐性遺伝子のセンス鎖オリゴヌクレオチド(5´ーTCGTGCTTTACGGTATCGCCGCTCCCGATT-3´;配列番号9)と上記mDlg遺伝子のアンチセンスオリゴヌクレオチド(配列番号8)を用いたPCR分析において273bpの増幅産物として検出された。

[0046]

サザンブロット分析を行なうために、新生児マウスの尾由来のDNA10μgをEcoRIで消化し、0.8%アガロースゲル上で電気泳動し、ニトロセルロースフィルター(HybondーN+; Pharmacia社製)上にブロッティングし、ジゴキシゲニン標識した5´プローブとハイブリダイゼーションさせた。

 $[0\ 0\ 4\ 7]$

5. D l g 蛋白質発現の解析

新生児マウスの脳溶解物(Brain lysate)をSDS-PAGEで展開し、 抗D1g抗体を用いてイムノブロッティングを行なった。まず、新生児マウスの脳を摘出 し、適量の溶解バッファー(Tris(pH7.4) 100mM、NaCl 150m mM、アプロチニン 10μ g/ml、ロイペプチン 10μ g/ml)を加えすりつぶ した。 1 5 0 0 0 r p m 、 4 ℃で 2 0 分間遠心処理し、上清を脳溶解物とした。脳溶解物 をSDS-PAGE(6% ポリアクリルアミドゲル)で展開した。トランスファーバッ ファー (グリシン 2.92g、Tris 5.81g、SDS 0.375g、メタノ ール 200m1/1000m1)を浸み込ませた濾紙4枚ずつで、ゲルおよびメンブレ ン (Immobilon-P; MILLIPORE社製)を挟み、濾紙1cm²あたり1 . 4mAの電流で1時間かけて転写した。メンブレンを5% スキムミルクを含むトリス 緩衝化生理食塩水(TBS)で30分間ブロッキングした。抗D1g抗体(Transd uction社製)を5% スキムミルクを含むTBSで希釈し、メンブレンに滴下し1 時間インキュベーションした。0.1% Tweenを含むTBSで5分間洗浄した。ァ ルカリホスファターゼ結合抗マウスIgG抗体(Promega社製)をTBSで希釈し てメンブレンに滴下し、30分間インキュベーションした。0.1% Tweenを含む TBSで5分間洗浄した。発色液(NBT/BCIP(Promega社製)を含むAP バッファー (Tris 100mM、NaCl 100ml、MgCl₂ 5mM))に 浸し、D1gの発現を検出した。

[0048]

<結果>

得られたターゲティング構築物、Dlg遺伝子座、および遺伝子導入された対立遺伝子を図1-Aに示した。

[0049]

第3代目の各マウスの尾由来DNAを、5´プローブを用いてサザンブロット分析した結果(図1-B)、D1g+/+マウスでは内性EcoRI断片のみが検出された。D1g-/-マウスにおいては、変異EcoRI断片のみが検出された。D1g+/-マウスにおいては、内性EcoRI断片および変異EcoRI断片の両方が検出された。

[0050]

第3代目の各マウスの遺伝子型を、各マウスの尾由来DNAを用いて遺伝子型を解析した結果(図1-C)、対立遺伝子の型は、D1g+/+マウスは野生型(wild-type)であり、D1g-/-マウスは変異型(mutant)であることが確認できた。また、D1g+/-マウスは、野生型(wild-type)および変異型(mutant)の両方の対立遺伝子を有することが確認できた。

 $[0\ 0\ 5\ 1]$

第3代目の各マウス由来の各D1gの発現を解析した結果(図1-D)、D1g+/+マウスおよびD1g+/-マウスではD1gが検出された。D1g+/-マウスで検出されたD1gの量は、D1g+/+マウスと比較して少なかった。しかし、D1g-/-マウスではD1gは検出されなかった。

 $[0\ 0\ 5\ 2]$

これら結果から、D1g+/-マウスおよびD1g-/-マウスを取得できたことが明らかになった。D1g+/-マウスについては、胚、新生児マウスおよび成熟マウスを得ることができた。しかし、D1g-/-マウスは生後短期間で死亡するため、成熟マウスを得ることはできなかったが、胚および新生児マウスを得ることができた。D1g+/-マウスではD1gの発現が低下しており、D1g-/-マウスではD1gの発現は消失していた。

【実施例2】

[0053]

Dlg+/ーマウスにおいては、成長に伴って皮膚およびリンパ節に腫瘍形成が認められた。そこで、これら腫瘍について、以下の解析を行なった。

 $[0\ 0\ 5\ 4]$

く方法>

1. 免疫組織化学分析

Dlg+/ーマウスから採取した皮膚腫瘍組織を用い、常法に従って組織切片を作製した。各組織切片についてDAB染色を行なった。まず、各組織切片をホルマリン固定し、そしてバラフィン包埋した。スーバーミックス(0.25% ゼラチンおよび0.5% Triton X-100)中で1晩ブロッキングした後、各組織切片を抗サイトケラチンAE1/AE3抗体および抗Dlg抗体で1晩インキュベーションし、PBS中で3回洗浄し(1回の洗浄につき10分間)た。その後、スーパーミックスで1/250 希釈したビオチン化抗マウス ウサギIgGおよび抗ウサギ ヤギIgG(Vector社製)と1時間インキュペーションした。次いで、各組織切片をPBS中で4回洗浄し(1回の洗浄につき10分間)、スーパーミックスで1/400 希釈したABCリアクションミックスチャー(Elite ABC kit; Vector社製,PK-6100)と1時間インキュペーションした。続いて、各組織切片をPBS中で3回洗浄し(1回の洗浄につき10分間)、DAB溶液(PBS中、0.2mg/ml DAB、3mg/ml ニッケルアンモニウム、0.0045% H202)で5分間インキュベーションは全て室温で行なった。

[0055]

2. ヘマトキシリン・エオシン染色

Dlg+/ーマウスから採取したリンパ節組織を用い、常法に従って組織切片を作製し、ヘマトキシリン・エオシン染色を行なった。

3. フローサイトメトリーによる解析

腫瘍の形成が認められたD1g+/-マウスの頸部リンパ節を摘出し、軽くミンチして組織をほぐした後、 100μ m メッシュフィルターを通してほぐれなかった組織片および細胞塊を除去し、リンパ節細胞を調製した。比較対照として、D1g+/+マウスの頸部リンパ節から同様に調製したリンパ節細胞を用いた。得られた細胞は、フルオレセインイソチオシアネート(FITC)を結合させた抗CD56抗体で染色した後、FACScanフローサイトメーターを使用して、フローサイトメトリーにより分析した。

[0056]

<結果>

Dlg+/-マウスの皮膚腫瘍組織切片は、部分的にサイトケラチンAE 1/ A E 3 染色に陽性であった。形成された腫瘍は、皮膚上皮細胞由来の汗腺腫 p o r o i d

[0057]

[0058]

これら結果から、Dlg+/ーマウスでは皮膚腫瘍およびリンパ腫が形成されることが明らかになった。腫瘍が形成された皮膚組織中の正常細胞ではDlgが発現していたのに対し、腫瘍細胞ではDlgが発現していなかったことから、Dlgの発現および/または機能の低下が腫瘍形成の重要な要因であると考える。

[0059]

このように、D1g遺伝子の欠損により、D1gの発現および/または機能の低下し、その結果、皮膚腫瘍およびリンパ腫等の腫瘍が形成されることが判明した。

【実施例3】

 $[0\ 0\ 6\ 0\]$

D1gの欠損により腫瘍が形成されるメカニズムを検討する目的で、D1g欠損により発現が変化する遺伝子の検索を行なった。当該遺伝子の検索は、実施例1で作製したD1g+/+マウスおよびD1g-/-マウス由来のマウス胚線維芽細胞(MEF)を用いて、慣用のマイクロアレイ法により行った。その結果、D1g-/-マウス由来MEFにおいてsFRP1 mRNAおよびsFRP2 mRNAの減少が認められたので、sFRP1遺伝子およびsFRP2遺伝子の変化の解析をさらにRT-PCRにより行なった。

 $[0\ 0\ 6\ 1]$

<材料および方法>

1.細胞および培養

マウス胚線維芽細胞(MEF)は、Dlg+/+マウスおよびDlg-/-マウスの1

3.5日目の胚から調製した。また、永久増殖性MEFを、調製した初生MEFから既に確立された手法により作製した。MEFは10%牛胎児血清(FBS)および抗生物質を含むDMEM中で培養した。

- $[0\ 0\ 6\ 2]$
- 2. DlgをトランスフェクションしたMEFのAuto-MACSによる濃縮

D1g-/-永久増殖性MEFに、マウスD1g遺伝子を発現させるベクターpMKitneo-D1gを用いてD1gをトランスフェクションした。このとき、D1gをトランスフェクションしたMEFを選択的に濃縮するため、pMKitneo-D1gと共に、短縮したH2-kk分子(その遺伝子の塩基配列を配列番号10に示した)を発現させるベクターpMACS kk IIをコトランスフェクションした。コトランスフェクション24時間後にMEFを回収し、BPE(5mM エチレンジアミン四酢酸(EDTA)を含むPBS)に再縣濁し、MACSelect kk ミクロビーズと共に15分間インキュベーションした後、磁気分離した。

[0063]

3. RT-PCR分析

MEFから、総RNAをISOGENE(Nippon Gene社製)を用いて抽出した。総RNA(5μ g)を用い、Superscript III逆転写酵素(Invitrogen社製)を使用して、使用説明書にしたがってcDNAを調製した。PCRは次の運転条件で行なった:94℃で1分間;次いで、94℃で30秒間そして55℃で30秒間に続いて72℃で1分間を1サイクルとして30サイクル;そして最終サイクルの後で、72℃で10分間の最終伸張反応。

 $[0\ 0\ 6\ 4\]$

<結果>

MEFは、2系統のマウス(#33および#44)からそれぞれ調製した(#33primaryおよび#44primary)。#33および#44はそれぞれ、ターゲティングベクターをエレクトロポレーションによりトランスフェクションした後に数枚のディッシュに細胞を播種して薬剤選別を行なった後に別々のディッシュから取得したクローンを用いて作製したマウス系統である。#33由来のMEFから、永久増殖性MEFを作製した(#33 immortalized)。Dlg+/+MEFおよびDlg-/-MEFから抽出した各RNA試料について、sFRPlおよびsFRP2の発現をRT-PCRにより検討した。また、コントロールとしてアクチンの発現を同様に検討した。

 $[0\ 0\ 6\ 5]$

これら3種類のMEFのいずれにおいても、D1g-/-ではD1g+/+と比較して、sFRP1 mRNAおよびsFRP2 mRNAが減少していた(図3)。sFRP2 mRNAの減少は、sFRP1 mRNAと比較して、より顕著であって。アクチンmRNAの量に変化はなかった。

 $[0\ 0\ 6\ 6]$

D1g+/+由来永久増殖性MEF、D1g-/-由来永久増殖性MEFおよびD1gをトランスフェクションしたD1g-/-由来永久増殖性MEFから抽出した各RNA試料について、sFRP2およびsFRP1の発現をRT-PCRにより検討した。また、各細胞を用いてD1gの検出をウエスタンブロッティングにより行なった。その結果、D1g+/+由来永久増殖性MEFでは、D1gが検出されたが、D1g-/-由来永久増殖性MEFでは全く検出されず、D1g遺伝子を導入したD1g-/-由来永久増殖性MEFではD1g+/+由来永久増殖性MEFと比べて量的には少ないがD1gが検出された(図4)。sFRP2 mRNAは、D1g-/-由来永久増殖性MEFにおいて、D1g+/+由来永久増殖性MEFと比較して著しく減少していた(図4)。D1g遺伝子を導入したD1g-/-由来永久増殖性MEFでは、D1g遺伝子を導入しなかったものと比較して、SFRP2 mRNAが増加した(図4)。

 $[0\ 0\ 6\ 7]$

これら結果から、Dlgの欠損により、sFRPlおよびsFRP2の発現、特にsF

RP2の発現が阻害されることが判明した。また、D1g遺伝子の導入により、sFRP2の発現を増強することが可能であることが明らかになった。

【産業上の利用可能性】

[0068]

本発明は、腫瘍形成、例えば皮膚腫瘍やリンパ腫等の形成のメカニズムを分子レベルで解明する目的に有用である。さらに腫瘍形成の阻害剤や阻害方法の開発、並びに癌疾患の防止剤、治療剤、防止方法または治療方法の開発等のために利用可能である。本発明は、このように、医薬研究や医薬開発分野等において非常に有用性が高い。

【図面の簡単な説明】

[0069]

【図1-A】ターゲティング構築物(図中、Targeting vectorと表示)、Dlg遺伝子座(図中、<math>Dlg Locusと表示)、および遺伝子導入された対立遺伝子(図中、Dlg recombinantと表示)を示す図である。ネオマイシン耐性遺伝子(neo)はClal 部位にインフレーム融合により挿入した;その5 ´側および3 ´側にはそれぞれ0.8 k b および8.5 k b の相同配列が隣接している(太線で表示)。細線はpBluescrip t 由来の配列を表わす。サザンブロット分析に用いた5 ´プローブ(5 ´probe)の位置は、図の下部に、ハイブリダイゼーションする断片の予想サイズと共に表した。図中「B」はBamH I、「<math>C」はClal、「E」はEcoRI、および「X」はXhoIを意味する。また、矢印およびATGはDlgのコード領域開始部分を示す。

【図1-B】第3代目のD1g+/+マウス、D1g+/-マウスおよびD1g-/-マウスの尾由来DNAを、5´プローブを用いてサザンブロット分析した代表的結果を示す図である。

【図1-C】第3代目のD1g+/+マウス、D1g+/-マウスおよびD1g-/-マウスの遺伝子型を、各マウスの尾由来DNAを用いて解析した結果を示す図である。図中、「wild-type」は野生型のD1g遺伝子を、「mutant」は変異が導入されたD1g遺伝子を示す。

【図1-D】第3代目のD1g+/+マウス、D1g+/-マウスおよびD1g-/-マウスにおけるD1gの発現を、新生児マウスの脳溶解物を用いてイムノブロッティングにより解析した結果を示す図である。

【図2一A】D1g+/+マウスのリンパ節には、FITC結合抗CD56抗体で染色される細胞が極少ないことをフローサイトメトリーにより明らかにした図である。図中、FL1一HeightはFITC結合抗CD56抗体による染色強度を表す。また、R2で示される領域(図中右側の四角で囲まれた領域)に存在するドットは、FITC結合抗CD56抗体で染色された細胞を、R3で示される領域(図中左側の四角で囲まれた領域)に存在するドットは、FITC結合抗CD56抗体で染色されなかった細胞を示す。

【図 2-B】 D 1 g + / - z + / - z + /

れらマウス系統は、ターゲティングベクターをES細胞にトランスフェクションして 得られた2つのクローンからそれぞれ作製した系統である。

【図4】 s F R P 2 の発現が、D 1 g - / - 由来永久増殖性MEF(D 1 g - / - M E F)において、D 1 g + / + 由来永久増殖性MEF(D 1 g + / + MEF)比較して著しく低減したことを、R T - P C R により明らかにした図である(下図)。また、D 1 g - / - 由来永久増殖性MEFにD 1 g 遺伝子をトランスフェクションすることにより(D 1 g - / - MEF:D 1 g)、s F R P 2 の発現が増強されることが判明した(下図)。D 1 g + / + MEFにおいては、D 1 g の発現が認められたが、D 1 g - / - MEFでは該発現が認められなかったことを、ウェスタンブロッティングにより確認した(上図)。また、D 1 g - / - MEF:D 1 g では、D 1 g 遺伝子のトランスフェクションによりD 1 g が発現したことが判明した(上図)。

【配列表フリーテキスト】

[0070]

配列番号1:ヒトDlg(discs large)遺伝子。

配列番号2:ヒトDlg(discs large)。

配列番号3:マウスDlg(discs large)遺伝子。

配列番号4:マウスDlg(discs large)。

配列番号5:プライマーとして使用するために設計されたオリゴヌクレオチド。

配列番号6:プライマーとして使用するために設計されたオリゴヌクレオチド。

配列番号7:プライマーとして使用するために設計されたオリゴヌクレオチド。

配列番号8:プライマーとして使用するために設計されたオリゴヌクレオチド。

配列番号9:プライマーとして使用するために設計されたオリゴヌクレオチド。

配列番号10:H2-kk遺伝子。

SEQUENCE LISTING

```
DAIICHI PHARMACEUTICAL CO., LTD.
< 1 1 0 >
<120> An agent for enhancing expression of sFRP
      NP04-1026
<130>
< 1.6.0 > 1.0
\langle 170 \rangle PatentIn version 3.1
< 2 1 0 >
<211>
       2980
<212>
      DNA
<213> Homo sapiens
< 2 2 0 >
< 2 2 1 >
      misc-feature
<223> human Dlg (discs large) gene
< 4 0 0 > 1
gttggaaacg gcactgctga gtgaggttga ggggtgtctc ggtatgtgcg ccttggatct
                                                                          6 0
ggtgtaggcg aggtcacgcc tctcttcaga cagcccgagc cttcccggcc tggcgcgttt
                                                                         1 2 0
agttcggaac tgcgggacgc cggtgggcta gggcaaggtg tgtgccctct tcctgattct
                                                                         180
                                                                         2 4 0
ggagaaaaat gccggtccgg aagcaagata cccagagagc attgcacctt ttggaggaat
                                                                         3 0 0
atogitoaaa actaagooaa actgaagaca gacagotoag aagitooata gaacgggita
ttaacatatt tcagagcaac ctctttcagg ctttaataga tattcaagaa ttttatgaag
                                                                         360
tgaccttact ggataatcca aaatgtatag atcgttcaaa gccgtctgaa ccaattcaac
                                                                         4 2 0
ctgtgaatac ttgggagatt tccagccttc caagctctac tgtgacttca gagacactgc
                                                                         480
                                                                         5 4 0
caagcagcct tagccctagt gtagagaaat acaggtatca ggatgaagat acacctcctc
aagagcatat ttccccacaa atcacaaatg aagtgatagg tccagaattg gttcatgtct
                                                                         600
                                                                         660
cagagaagaa cttatcagag attgagaatg tccatggatt tgtttctcat tctcatattt
caccaataaa gccaacagaa gctgttcttc cctctcctcc cactgtccct gtgatccctg
                                                                         720
```

tectgecagt ecetgetgag aataetgtea teetaeeeae eataeeaeag geaaateete

780

ccccagtact gg	t c a a c a c a	gatagcttgg	aaacaccaac	ttacgttaat	ggcacagatg	8 4 0
cagattatga at	a t g a a g a a	atcacacttg	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	ttcagggctt	ggtttcagca	9 0 0
ttgcaggagg ta	c g g a c a a c	ccacacattg	gagatgactc	aagtatttc	a t t a c c a a a a	960
ttatcacagg gg	gagcagcc	gcccaagatg	gaagattgcg	ggtcaatgac	tgtatattac	1 0 2 0
aagtaaatga ag	tagatgtt	cgtgatgtaa	cacatagcaa	agcagttgaa	gcgttgaaag	1080
aagcagggtc ta	ttgtacgc	ttgtatgtaa	a a a g a a g g a a	accagtgtca	gaaaaataa	1 1 4 0
tggaaataaa gc	t c a t t a a a	ggtcctaaag	gtcttgggtt	tagcattgct	ggaggtgttg	1 2 0 0
gaaatcagca ta	ttcctggg	gataatagca	tctatgtaac	caaaataatt	gaaggaggtg	1 2 6 0
cagcacataa gg	a t g g c a a a	cttcagattg	gagataaact	tttagcagtg	aataacgtat	1 3 2 0
gtttagaaga ag	t t a c t c a t	gaagaagcag	taactgcctt	a a a g a a c a c a	tctgattttg	1 3 8 0
tttatttgaa ag	tggcaaaa	cccacaagta	tgtatatgaa	tgatggctat	gcaccacctg	1 4 4 0
atatcaccaa ct	cttcttct	cagcctgttg	ataaccatgt	tagcccatct	tccttcttgg	1500
gccagacacc ag	catctcca	gccagatact	cccagtttc	taaagcagta	cttggagatg	1560
atgaaattac aa	gggaacct	agaaaagttg	ttcttcatcg	tggctcaacg	ggccttggtt	1620
tcaacattgt ag	gaggagaa	gatggagaag	gaatatttat	ttcctttatc	ttagccggag	1680
gacctgctga tc	taagtgga	gagctcagaa	aaggagatcg	tattatatcg	gtaaacagtg	1740
ttgacctcag ag	ctgctagt	catgagcagg	cagcagctgc	attgaaaaat	gctggccagg	1800
ctgtcacaat tg	ttgcacaa	tatcgacctg	aagaatacag	tcgttttgaa	gctaaaatac	1860
atgatttacg gg	agcagatg	atgaatagta	gtattagttc	agggtcaggt	tctcttcgaa	1920
ctagccagaa gc	gatccctc	tatgtcagag	ccctttttga	ttatgacaag	actaaagaca	1980
g t g g g c t t c c c a	gtcaggga	ctgaacttca	aatttggaga	tatcctccat	gttattaatg	2 0 4 0
cttctgatga tg	aatggtgg	c a a g c c a g g c	aggttacacc	agatggtgag	agcgatgagg	2 1 0 0
tcggagtgat tc	ccagtaaa	cgcagagttg	a g a a g a a a g a	a	t t a a a a a c a g	2 1 6 0
t g a a a t t c a a t t	ctaaaacg	agagataaag	gggagatccc	tgacgacatg	ggatcaaaag	2 2 2 0
gcctgaagca tg	taacttct	aatgccagcg	atagtgaaag	tagttaccgt	ggtcaagaag	2 2 8 0

aatacgtctt	atcttatgaa	ccagtgaatc	aacaagaagt	taattatact	cgaccagtga	2 3 4 0
tcatattggg	acctatgaaa	gacaggataa	atgatgactt	gatctcagaa	t t t c c t g a c a	2 4 0 0
aatttggatc	ctgtgttcct	catacaacta	gaccaaaacg	agattatgag	gtagatggaa	2 4 6 0
gagattatca	tttgtgact	tcaagagagc	agatggaaaa	agatatccag	gaacataaat	2520
tcattgaagc	tggccagtat	aacaatcatc	tatatggaac	aagtgttcag	tctgtacgag	2580
aagtagcagg	aaagggcaaa	cactgtatcc	ttgatgtgtc	tggaaatgcc	ataaagagat	2640
tacagattgc	acagctttac	cctatctcca	ttttattaa	a c c c a a a t c c	atggaaaata	2700
tcatggaaat	gaataagcgt	ctaacagaag	aacaagccag	a a a a a c a t t t	gagagagcca	2760
tgaaactgga	acaggagttt	actgaacatt	tcacagctat	tgtacagggg	gatacgctgg	2820
aagacattta	caaccaagtg	aaacagatca	tagaagaaca	atctggttct	tacatctggg	2880
t t c c g g c a a a	agaaaagcta	tgaaaactca	tgtttctctg	tttctcttt	c c a c a a t t c c	2 9 4 0
atttcttg	gcatctctt	gccctttcct	ctggaaaaaa			2980

- < 2 1 0 > 2
- < 2 1 1 > 9 0 4
- $\langle 2 1 2 \rangle$ PRT
- <213> Homo sapiens
- < 2 2 0 >
- $\langle 221 \rangle$ misc-feature
- <223> human Dlg (discs large)

< 4 0 0 > 2

Met Pro Val Arg Lys Gln Asp Thr Gln Arg Ala Leu His Leu Leu Glu 1 5 15

Glu Tyr Arg Ser Lys Leu Ser Gln Thr Glu Asp Arg Gln Leu Arg Ser 20 25 30

Ser Ile Glu Arg Val Ile Asn Ile Phe Gln Ser Asn Leu Phe Gln Ala 35

Leu Ile Asp Ile Gln Glu Phe Tyr Glu Val Thr Leu Leu Asp Asn Pro

L y s 6 5			Asp											V a l	A s n 8 0
Thr	Trp	Glu	I 1 e				Pro							G 1 u 9 5	Thr
Leu	Pro	Ser					Ser							Gln	Asp
Glu	Asp		Pro										Thr	Asn	Glu
V a l	I 1 e 1 3 0	Gly	Pro	Glu	Leu		His				L y s 1 4 0	Asn	L e u	Ser	Glu
I 1 e 1 4 5	Glu	Asn	V a l				V a l				His			Pro	I l e 1 6 0
Lys	Pro	Thr	Glu				Pro				Thr			V a 1 1 7 5	Ilе
Pro	V a l	L e u	Pro 180	V a l	Pro	Ala	Glu	A s n 1 8 5	Thr	Val	I I e	Leu	Pro 190	Thr	Ilе
Pro	Gln	A 1 a 1 9 5	Asn	Pro	Pro	Pro	V a l 2 0 0	L e u	V a l	Asn	Thr	A s p 2 0 5	Ser	Leu	Glu
Thr	Pro 210	Thr	Туr	V a l	Asn		Thr		Ala	Asp	T y r 2 2 0	Glu	Tyr	Glu	Glu
I I e 2 2 5	Thr	L e u	Glu	Arg	G 1 y 2 3 0	Asn	Ser	Gly	L e u	G 1 y 2 3 5		Ser	I 1 e	Ala	G 1 y 2 4 0
G l y	Thr	Asp	Asn	Pro	His	Ilе	Gly	Asp	Asp	Ser	Ser	Ιle	P h e	Ile	Thr

250

2 5 5

2 4 5

Lys	Ile	Ile	Thr 260	Gly	G 1 y	Ala	Ala	A 1 a 2 6 5	Gln	Asp	Gly	Arg	L e u 2 7 0	Arg	V a l
Asn	Asp	C y s 2 7 5	I I e	Leu	G 1 n	V a l	A s n 2 8 0	Glu	V a l	Asp	V a l	Arg 285	Asp	V a l	Thr
His	S e r 2 9 0	Lуs	Ala	V a l	Glu	A 1 a 2 9 5	Leu	Lуs	Glu	Ala	G 1 y 3 0 0	Ser	I 1 e	Val	Arg
Leu 305	Туr	Val	Lуs	Arg	Arg 310	Lуs	Pro	Val	Ser	G l u 3 1 5	Lуs	I 1 e	Met	Glu	I 1 e 3 2 0
Lys	Leu	Ile	Lуs		Pro			Leu			Ser		Ala	G 1 y 3 3 5	G 1 y
V a l	Gly	Asn	G 1 n 3 4 0	His	I 1 e	Pro	G 1 y	A s p 3 4 5	Asn	Ser	I I e	Туr	V a 1 3 5 0	Thr	Lys
Пlе	Пlе	G 1 u 3 5 5	G 1 y	G 1 y	Ala	Ala	H i s 3 6 0	Lуs	Asp	G 1 y	Lуs	L e u 3 6 5	Gln	I 1 e	Gly
Asp	Lys 370	Leu	Leu	Ala	V a l	A s n 3 7 5		Val	Cys	Leu	G 1 u 3 8 0	Glu	V a l	Thr	His
G I u 3 8 5	Glu	Ala	V a l	Thr	A 1 a 3 9 0	Leu	Lys	Asn	Thr	Ser 395	Asp	P h e	V a l	Туr	L e u 4 0 0
Lys	V a l	Ala	Lуs	Pro 405	Thr	Ser	Met	Туr	M e t 4 1 0	Asn	Asp	G 1 y	Tyr	A 1 a 4 1 5	Pro
Pro	Asp	Ile	Thr 420	Asn	Ser	Ser	Ser	G 1 n 4 2 5		V a l	Asp	Asn	H i s 4 3 0	Val	Ser
Pro	Ser	S e r 4 3 5	P h e	Leu	Gly	Gln	Thr 440	Pro	Ala	Ser	Pro	A 1 a 4 4 5	Arg	Туr	Ser
n	T - 1	C	ī	à 1	T 7 . 1	Ι.	C 1	λ	λ	C 1	I I	ጥ 1	٨	C 1	n

Pro Val Ser Lys Ala Val Leu Gly Asp Asp Glu Ile Thr Arg Glu Pro

Arg 465	Lуs	Val	Val	Leu	H i s 4 7 0			Ser			Leu				I 1 e 4 8 0
V a l	G l y	G 1 y	Glu		G l y						Ser			L e u 4 9 5	Ala
G l y	Gly	Pro	A 1 a 5 0 0	Asp	Leu	Ser	Gly				Lys		A s p 5 1 0	Arg	Ile
Ile	Ser	V a l 5 1 5	Asn	Ser	V a l	Asp	L e u 5 2 0	Arg	Ala	Ala	Ser	H i s 5 2 5	Glu	Gln	Ala
Ala	A 1 a 5 3 0	Ala	L e u	Lys	Asn			Gln			Thr 540	I l e	V a l	Ala	Gln
Tyr 545	Arg	Pro	Glu	Glu	T y r 5 5 0	Ser	Arg	Phe	Glu		Lys			Asp	L e u 5 6 0
Arg	Glu	Gln	M e t	M e t 5 6 5	Asn	Ser	Ser	I l e			G l y			Ser 575	Leu
Arg	Thr	S e r	G l n 5 8 0		Arg	Ser	L e u	Tyr 585	V a l	Arg	Ala	L e u	P h e 5 9 0	Asp	Tyr
Asp	Lys				Ser		L e u 6 0 0		S e r	Gln	G l y	L e u 6 0 5	Asn	P h e	Lys
Phe	G l y 6 l 0	Asp	I 1 e	L e u	H i s	V a l 6 1 5	I l e	Asn	Ala	Ser	A s p 6 2 0	Asp	Glu	Trp	Trp
G l n 6 2 5	Ala	Arg	Gln	V a l	Thr 630	Pro	Asp	Gly	Glu	Ser 635	Asp	Glu	V a l	G l y	V a l 6 4 0
Ilе	Pro	Ser	Lуs	Arg 645	Arg	V a l	Glu	Lуs	L y s 6 5 0	Glu	Arg	Ala	Arg	L e u 6 5 5	Lys

Thr	Val	Lys	P h e 6 6 0	Asn	Ser	Lys	Thr		Asp		Gly	Glu	I 1 e 6 7 0	Pro	Asp
Asp	Met	G 1 y 6 7 5	Ser	Lys	Gly	Leu	L y s 6 8 0	His	V a l	Thr	Ser	A s n 6 8 5	Ala	Ser	Asp
Ser	G l u 6 9 0	Ser	Ser	Туr	Arg	G l y 6 9 5	Gln	Glu	Glu	Туr	V a l 7 0 0	Leu	Ser	Tyr	Glu
Pro 705	V a l	Asn	Gln	Gln	G l u 7 l 0	V a l	Asn	Туr	Thr	Arg 715	Pro	V a l	I 1 e	Пlе	L e u 7 2 0
Gly	Pro	Met	Lуs								I l e		Glu	P h e 7 3 5	Pro
Asp	Lys	Phe									Arg		Lys 750	Arg	Asp
Туг	Glu	V a l 7 5 5									Thr		Arg	Glu	Gln
Met	G 1 u 7 7 0	Lys	Asp	Пlе	Gln	G l u 7 7 5	His	Lуs	P h e	I l e	G l u 7 8 0	Ala	G l y	Gln	Tyr
A s n 7 8 5	Asn	His	Leu	Туг	G 1 y 7 9 0	Thr	Ser	V a l	Gln	Ser 795		Arg	Glu	V a l	A 1 a 8 0 0
Gly	Lуs	Gly	Lуs	His 805		I 1 e					Gly		Ala	I 1 e 8 1 5	Lys
Arg	Leu	Gln	I 1 e 8 2 0	Ala	Gln	Leu	Туг	Pro 825	Пlе	Ser	I l e	P h e	I 1 e 8 3 0	Lуs	Pro
Lys	Ser	Met 835	Glu	Asn	I l e	Met	G l u 8 4 0	Met	Asn	Lys	Arg	L e u 8 4 5	Thr	Glu	Glu
^ -					D .	A -						^ -	~ -		.

Gln Ala Arg Lys Thr Phe Glu Arg Ala Met Lys Leu Glu Gln Glu Phe

850 855

Thr Glu His Phe Thr Ala Ile Val Gln Gly Asp Thr Leu Glu Asp Ile 865

Tyr Asn Gln Val Lys Gln Ile Ile Glu Glu Gln Ser Gly Ser Tyr Ile 885

Trp Val Pro Ala Lys Glu Lys Leu 900

< 2 1 0 > 3

<211> 3150

<212> DNA

<213> Mus musculus

< 2 2 0 >

 $\langle 221 \rangle$ misc-feature

<223> murine Dlg (discs large) gene

< 4 0 0 > 3

ggagaaaaat gccggtccgg aagcaagata cccagagagc attgcatctg ttggaagaat 6 0 1 2 0 atogatogaa actaagooaa actgaagaca gacaactoag aagttocata gagogggtta 180 ttaacatatt tcagagcaac ctctttcagg ctttaataga tattcaagaa ttttatgaag tgaccttact tgataatcca aaatgtgtgg atcattcaaa gcagtgtgaa ccagttcagc 240 3 0 0 ctgtgactac ttgggagatt gccagccttc caagcactgc cgtgacgtca gaaaccctgc ccggcagcct tagccctcca gtagagaaat accggtatca ggatgaagag gtacttcctc 360 ctgagcatat ttctccacaa gtcacaaatg aggtgctagg tccagaactg gtccatgtct 4 2 0 480 cagagaagaa cotgtoagag attgagaatg tooatggatt tgtttotoat totoatatot caccaataaa gcccacagaa gctgttcctc cctcctctcc cattgtccct gtgacccctg 5 4 0 600 ccctgccagt ccctgctgag agtactgtcg tcctgccctc cgcaccacag gcaaatcctc ctccagtgct ggtcaacaca gacagcttag agacaccaac ttatgttaat ggcactgatg 6 6 0 cagattatga atatgaggaa atcacacttg aaaggggaaa ttcgggtctt ggtttcagca 720

ttgcaggagg tacagac	aac ccacacattg	gagatgactc	aagtatttc	a t c a c c a a a a	780
ttatcacagg cggacgg	gct gcccaggatg	gaagattgcg	ggtaaatgac	tgtgtactga	8 4 0
gagtaaatga agcagac	gtt cgtgatgtaa	c c c a c a g c a a	agcagtggag	gcattaaaag	9 0 0
aagctggatc tattgtg	cga ttgtatgtga	aaaggcggaa	gctagcatca	gaaaaatca	960
tggaaataaa gctcatt	aaa ggtcctaaag	gtcttgggtt	cagcattgct	ggaggtattg	1 0 2 0
gaaatcagca cattcct	ggt gataacagca	tctatgtaac	caaaataatt	gaaggaggtg	1080
cagcacacaa ggatggc	aag cttcagattg	gagataagct	tctagcagtg	aacagtgtgt	1 1 4 0
gtttagaaga agttact	cat gaagaagcag	tgactgcctt	aaagaataca	tctgattttg	1 2 0 0
tttatttgaa agtggca	aaa ccaacaagta	tgtatataaa	tgatggctat	gcaccacctg	1 2 6 0
acatcactaa ttcttct	tct caatctgttg	acaaccatgt	cagcccgtcc	tcctgcttgg	1 3 2 0
gccagacgcc aacgtca	cca gccaggtact	cacccatttc	taaagctgtg	ctcggagatg	1380
acgagatcac tagggaa	cct agaaaagttg	ttcttcatcg	tggctcaaca	ggacttggtt	1 4 4 0
ttaacattgt ggcaggt	gaa gatggagaag	ggattttat	ctccttcatc	cttgctggcg	1500
gacctgctga tctaagt	gga gagctcagaa	aaggagatcg	catcatatcg	gtgaacagtg	1560
ttgacctcag agctgca	agt cacgaacaag	cagcagctgc	actaaagaac	gcaggccaag	1620
ccgtcaccat cgttgcg	caa tatcgacccg	aagagtcacg	tcgttttgaa	gctaaaatcc	1680
atgacttacg ggagcag	atg atgaatagca	gagtcagttc	agggtcaggg	tctcctcgaa	1740
ccagccagaa gcgctcc	ctc tatgtcagag	ccctcttga	ttatgacaag	actaaggaca	1800
gcgggcttcc cagtcaa	gga ctgaacttcc	gctttggaga	catcctccat	gtcatcaatg	1860
cttctgacga cgagtgg	tgg caagccaggc	aggtcacccc	agacgggag	agtgacgaag	1920
teggagtgat teetagt	aaa cgaagagctg		acgagcccga	ttaaaaacgg	1980
tcaaattcaa ttctaaa	aca agaggagata	aagggcagtc	attcaatgac	aagcgtaaaa	2 0 4 0
agaacctctt ttcccga	aaa tttcccttct	acaagaacaa	ggaccagagt	gaacaggaaa	2 1 0 0
cgagtgatgc tgaccag	cac gtaacttcta	atgccagcga	tagtgaaagt	agttaccgtg	2 1 6 0
gtcaagaaga atgtgtt	tta tottatgago	cagtgaatca	acaagaagtt	aattataccc	2 2 2 0

```
gaccagtcat catattagga cctatgaaag acagagtaaa tgatgactta atctcagaat
                                                                      2 2 8 0
ttcctgacaa atttggatcc tgtgtccctc atacaactag accgaagcgt gacatagagg
                                                                      2 3 4 0
tggatggacg agattatcat tttgtgactt caagggaacg agtggaaaag gatattcagg
                                                                      2 4 0 0
                                                                      2 4 6 0
agcataagtt cattgaagcc ggccagtata acaaccatct gtatgggacg agcgtgcagt
ccgtgcgagc agtggcagag aagggcaaac attgtatcct tgatgtgtct ggaaatgcca
                                                                      2520
taaagaggtt gcagattgca cagctttatc caatatctat ttttattaaa cccaaatcca
                                                                      2580
tggaaaatat catggaaatg aacaagcgcc taacagaaga gcaggccaga aaaacatttg
                                                                      2640
agagagccat gaagctggag caggagttca ctgagcattt cacagctatt gtccagggag
                                                                      2700
acacgctgga ggacatttac aaccaagtga aacagatcat cgaagaacag tctgggcctt
                                                                      2760
acatetgggt cetagegaaa gaaaagetat gaagaeggat gttgttettt etttteea
                                                                      2820
tggtctcatc tcttgccctg ttgtggagtc tgtcttcggt gtcctccacg ctgacacaga
                                                                      2880
teceeteete atggteggea gttgtgeeeg tttttgaea tetgtgteee tteatgttge
                                                                      2 9 4 0
atcatctgta ctattctgtg ttactcttgg tttctggcca cttttcggaa tgaagatgaa
                                                                      3 0 0 0
tggcctgacc agctatctag ggtttgggga gatgtaaaat tgtaaaattc cttaatgttt
                                                                      3 0 6 0
aagggaaagt taactttaag agattttcag aaaagcttta tatacactct tttccaatct
                                                                      3 1 2 0
                                                                      3 1 5 0
cagtacaaat gaaaaaaaaa aaaaaaaaa
```

< 2 1 0 > 4

<211> 927 <212> PRT

 $\langle 2 1 3 \rangle$ Mus musculus

< 2 2 0 >

 $\langle 2 2 1 \rangle$ m i s c - f e a t u r e

<223> murine Dlg (discs large)

 $< 4 \ 0 \ 0 > 4$

Met Pro Val Arg Lys Gln Asp Thr Gln Arg Ala Leu His Leu Leu Glu 1 15

Glu Tyr Arg Ser Lys Leu Ser Gln Thr Glu Asp Arg Gln Leu Arg Ser

Ser Ile Glu Arg Val Ile Asn Ile Phe Gln Ser Asn Leu Phe Gln Ala 35

Leu Ile Asp Ile Gln Glu Phe Tyr Glu Val Thr Leu Leu Asp Asn Pro 50 55

Lys Cys Val Asp His Ser Lys Gln Cys Glu Pro Val Gln Pro Val Thr 65

Thr Trp Glu Ile Ala Ser Leu Pro Ser Thr Ala Val Thr Ser Glu Thr 85

Leu Pro Gly Ser Leu Ser Pro Pro Val Glu Lys Tyr Arg Tyr Gln Asp 100 105

Glu Glu Val Leu Pro Pro Glu His Ile Ser Pro Gln Val Thr Asn Glu 115 120 125

Val Leu Gly Pro Glu Leu Val His Val Ser Glu Lys Asn Leu Ser Glu 130

Ile Glu Asn Val His Gly Phe Val Ser His Ser His Ile Ser Pro Ile 145 150 160

Lys Pro Thr Glu Ala Val Pro Pro Ser Ser Pro Ile Val Pro Val Thr 165 170

Pro Ala Leu Pro Val Pro Ala Glu Ser Thr Val Val Leu Pro Ser Ala 180 - 185 - 190

Pro Gln Ala Asn Pro Pro Pro Val Leu Val Asn Thr Asp Ser Leu Glu 195 200 205

Thr Pro Thr Tyr Val Asn Gly Thr Asp Ala Asp Tyr Glu Tyr Glu Glu 210

I 1 e 2 2 5	Thr	Leu	Glu	Arg	G 1 y 2 3 0	Asn	Ser	Gly	Leu		P h e		Ile	Ala	G 1 y 2 4 0
Gly	Thr	Asp	Asn		His			Asp			Ser			I 1 e 2 5 5	Thr
Lys	Ile	Ile	Thr 260	G 1 y	Gly	Arg	Ala	A l a 2 6 5	Gln	Asp	G 1 y	Arg	L e u 2 7 0	Arg	Val
Asn	Asp	C y s 2 7 5	Val	Leu	Arg	Val	A s n 2 8 0	Glu	Ala	Asp	Val	Arg 285	Asp	Val	Thr
His	S e r 2 9 0	Lys	Ala	Val	Glu			Lуs			G 1 y 3 0 0	Ser	Ile	Val	Arg
Leu 305	Туr	Val	Lуs	Arg				Ala		G 1 u 3 1 5	Lys	Ile	Met	Glu	I 1 e 3 2 0
Lys	L e u	Ile	Lуs	G 1 y 3 2 5	Pro	Lys	G 1 y	L e u	G 1 y 3 3 0		Ser			G 1 y 3 3 5	Gly
I I e	Gly	Asn	G 1 n 3 4 0	His	Ile	Pro	G 1 y	Asp 345	Asn	Ser	Ile	Tyr	V a 1 3 5 0	Thr	Lys
I l e	Ilе	G l u 3 5 5	Gly	G l y	Ala	Ala	His 360	Lуs	Asp	Gly	Lуs	L e u 3 6 5	Gln	Ilе	Gly
Asp	L y s 3 7 0	Leu	Leu	Ala	Val	A s n 3 7 5	Ser	V a l	Суѕ	Leu	G 1 u 3 8 0	Glu	Val	Thr	His
G l u 3 8 5	Glu	Ala	V a l	Thr	A 1 a 3 9 0	Leu	Lys	Asn	Thr	Ser 395	Asp	P h e	Val	Tyr	L e u 4 0 0
Lys	V a l	Ala	Lys	Pro 405	Thr	Ser	Met	Туr	I l e 4 l 0	Asn	Asp	G l y	Tyr	A l a 4 l 5	Pro

Pro Asp Ile Thr Asn Ser Ser Ser Gln Ser Val Asp Asn His Val Ser

Pro	Ser				Gly								Arg	Туr	Ser
Pro	I 1 e 4 5 0				V a l						I l e 4 6 0	Thr	Arg	Glu	Pro
Arg 465	Lys	V a l	V a l		H i s 4 7 0								Phe	Asn	I 1 e 4 8 0
V a 1	Ala	G 1 y	Glu		G l y						Ser			Leu 495	Ala
G l y	G 1 y	Pro	A 1 a 5 0 0	Asp	Leu	Ser	G l y	G l u 5 0 5	L e u	Arg	Lys	G l y	A s p 5 1 0	Arg	Ilе
I l e	Ser	V a l 5 1 5	Asn	S e r	V a l	Asp	L e u 5 2 0	Arg	Ala	Ala	Ser	H i s 5 2 5	Glu	Gln	Ala
Ala	A 1 a 5 3 0	Ala	Leu	Lys	Asn	A 1 a 5 3 5	G l y	Gln	Ala	V a l	Thr 540	I 1 e	V a l	Ala	Gln
Tyr 545	Arg	Pro	Glu	Glu	S e r 5 5 0	Arg	Arg	Phe	Glu	A 1 a 5 5 5	Lуs	I 1 e	His	Asp	L e u 5 6 0
Arg	Glu	Gln	Met	M e t 5 6 5	Asn	Ser	Arg	V a l	Ser 570		G l y	Ser	G l y	Ser 575	Pro
Arg	Thr	Ser	G 1 n 5 8 0	Lys	Arg	Ser	Leu	T y r 5 8 5	V a l	Arg	Ala	L e u	P h e 5 9 0	Asp	Туr
Asp	Lys	Thr 595		Asp	Ser	Gly	L e u 6 0 0	Pro	Ser	Gln	Gly	L e u 6 0 5	Asn	P h e	Arg

Phe Gly Asp Ile Leu His Val Ile Asn Ala Ser Asp Asp Glu Trp Trp

6 2 0

6 1 5

6 1 0

G 1 n 6 2 5	Ala	Arg	Gln	Val	Thr 630	Pro	Asp	Gly	Glu	Ser 635	Asp	Glu	Val	Gly	V a l 6 4 0
I 1 e	Pro	Ser	Lys	Arg 645	Arg	Ala	Glu	Lys	L y s 6 5 0	Glu	Arg	Ala	Arg	L e u 6 5 5	Lys
Thr	V a l	Lуs	P h e 6 6 0	Asn	Ser	Lуs	Thr	Arg 665		Asp	Lуs	G l y	G 1 n 6 7 0	Ser	P h e
Asn	Asp	L y s 6 7 5	Arg	Lys	Lуs	Asn	L e u 6 8 0	P h e	Ser	Arg	Lуs	P h e 6 8 5	Pro	P h e	Туr
Lуs	A s n 6 9 0	Lуs	Asp	Gln				Glu		Ser	A s p 7 0 0	Ala	Asp	Gln	His
V a 1 7 0 5	Thr	Ser	Asn	Ala	S e r 7 1 0	Asp	Ser	Glu	Ser	S e r 7 1 5		Arg	G l y	Gln	G 1 u 7 2 0
Glu	Cys	V a l	Leu	S e r 7 2 5				V a l			Gln			A s n 7 3 5	Туг
Thr	Arg	Pro	V a l 7 4 0	Пlе	Пlе	Leu	G l y	Pro 745	Met	Lуs	Asp	Arg	V a l 7 5 0	Asn	Asp
Asp	Leu	IIe 755	Ser	Glu	P h e	Pro		Lуs		G l y	Ser	C y s 7 6 5	V a l	Pro	His
Thr	T h r 7 7 0	Arg	Pro	Lуs	Arg			Glu		Asp	G 1 y 7 8 0	Arg	Asp	Туr	His
P h e 7 8 5	V a l	Thr	Ser	Arg	G l u 7 9 0		V a l	Glu	Lys		Пlе		Glu	His	L y s 8 0 0
P h e	I 1 e	Glu	Ala	G l y 8 0 5	Gln	Туr	Asn	Asn	H i s 8 1 0	Leu	Туr	G l y	Thr	S e r 8 1 5	Val
~ -	~	• • •			••		~ -		~ -	•	••	^	• -	·	

Gln Ser Val Arg Ala Val Ala Glu Lys Gly Lys His Cys Ile Leu Asp

8 2 0 8 3 0

Val Ser Gly Asn Ala Ile Lys Arg Leu Gln Ile Ala Gln Leu Tyr Pro 835

Ile Ser Ile Phe Ile Lys Pro Lys Ser Met Glu Asn Ile Met Glu Met 850

Asn Lys Arg Leu Thr Glu Glu Gln Ala Arg Lys Thr Phe Glu Arg Ala 865 - 870 - 880

Met Lys Leu Glu Gln Glu Phe Thr Glu His Phe Thr Ala Ile Val Gln 895

Gly Asp Thr Leu Glu Asp Ile Tyr Asn Gln Val Lys Gln Ile Ile Glu 900 910

Glu Gln Ser Gly Pro Tyr Ile Trp Val Leu Ala Lys Glu Lys Leu 915 920 925

< 2 1 0 > 5

< 2 1 1 > 2 0

 $\langle 2 1 2 \rangle$ DNA

<213> Artificial

< 2 2 0 >

<223> Designed polynucleotide for use as a primer

< 4 0 0 > 5

atgccggtcc ggaagcaaga

2 0

< 2 1 0 > 6

< 2 1 1 > 2 0

 $\langle 2 1 2 \rangle$ DNA

<213> Artificial

< 2 2 0 >

<223> Designed polynucleotide for use as a primer

 $< 4 \ 0 \ 0 > 6$

tcttcatcct gatacctgta

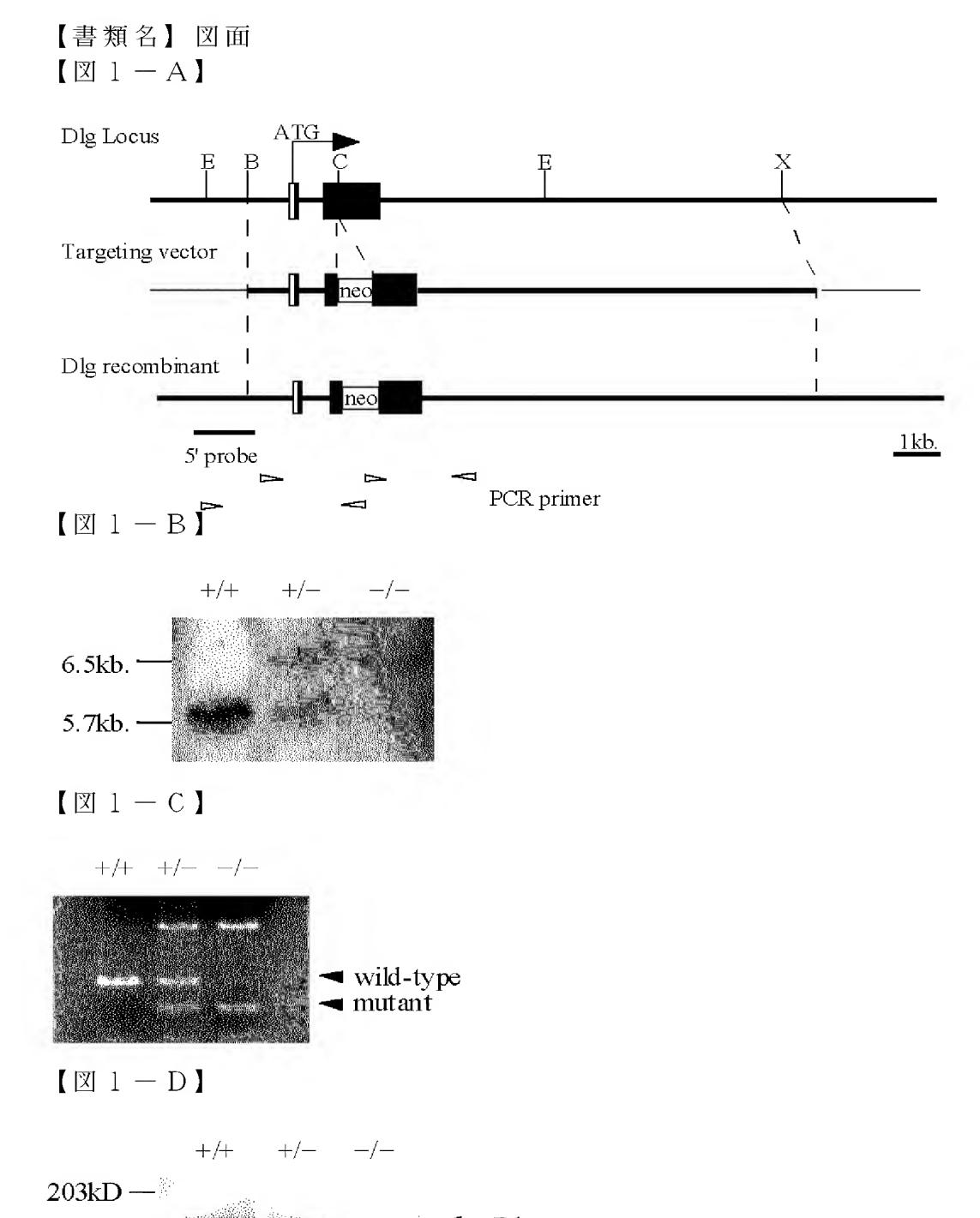
```
< 2 1 0 >
<211>
        3 0
<212>
         DNA
<213>
       Artificial
< 2 2 0 >
< 2 2 3 >
        Designed polynucleotide for use as a primer
< 4 \ 0 \ 0 > 7
                                                                                        3 0
gctgtcagtc cacagctaac acaggctact
< 2 1 0 >
<211>
         3 0
<212>
        DNA
< 2 1 3 >
        Artificial
< 2 2 0 >
< 2 2 3 >
        Designed polynucleotide for use as a primer
< 4 0 0 > 8
                                                                                        30
tgtcctaagt taaggaccat ctagagagcc
< 2 1 0 >
<211>
        3 0
< 2 1 2 >
         DNA
< 2 1 3 >
        Artificial
< 2 2 0 >
<223> Designed polynucleotide for use as a primer
< 4 0 0 > 9
tcgtgcttta cggtatcgcc gctcccgatt
                                                                                        3 0
\langle 2 \ 1 \ 0 \rangle \qquad 1 \ 0
<211>
       5 2 2 9
\langle 2 1 2 \rangle DNA
<213> Mus musculus
< 2 2 0 >
\langle 221 \rangle misc-feature
<223> H2-kk gene
< 4 0 0 > 1 0
                                                                                        6 0
gaattegata teaetagtae gegtegaega geteggatee egggaagett egateeagae
```

atgataagat acattgatga	gtttggacaa	accacaacta	gaatgcagtg	aaaaaatgc	1 2 0
tttatttgtg aaatttgtga	tgctattgct	ttatttgtaa	ccattataag	ctgcaataaa	180
caagttaaca acaacaattg	cattcattt	atgtttcagg	ttcaggggga	ggtgtgggag	2 4 0
gtttttaaa gcaagtaaaa	cctctacaaa	tgtggtatgg	ctgattatga	tccggctgcc	3 0 0
tcgcgcgttt cggtgatgac	ggtgaaaacc	tctgacacat	gcagctcccg	gagacggtca	360
cagcttgtct gtaagcggat	gccgggagca	gacaagcccg	tcagggcgcg	tcagcgggtg	4 2 0
ttggcgggtg tcggggcgca	gccatgaccc	ctgcattaat	gaatcggcca	a c g c g c g g g g	480
agaggcggtt tgcgtattgg	gcgctcttcc	gcttcctcgc	tcactgactc	gctgcgctcg	5 4 0
gtcgttcggc tgcggcgagc	ggtatcagct	cactcaaagg	cggtaatacg	gttatccaca	6 0 0
gaatcagggg ataacgcagg	aaagaacatg	tgagcaaaag	gccagcaaaa	ggccaggaac	6 6 0
cgtaaaaagg ccgcgttgct	ggcgttttc	cataggctcc	gcccccctga	c g a g c a t c a c	7 2 0
aaaaatcgac gctcaagtca	gaggtggcga	aacccgacag	gactataaag	ataccaggcg	780
tttccccctg gaagctccct	cgtgcgctct	cctgttccga	ccctgccgct	taccggatac	8 4 0
ctgtccgcct ttctcccttc	gggaagcgtg	gcgctttctc	atagctcacg	ctgtaggtat	9 0 0
ctcagttcgg tgtaggtcgt	tcgctccaag	ctgggctgtg	tgcacgaacc	cccgttcag	960
cccgaccgct gcgccttatc	cggtaactat	cgtcttgagt	ccaacccggt	aagacacgac	1 0 2 0
ttatcgccac tggcagcagc	cactggtaac	aggattagca	gagcgaggta	tgtaggcggt	1080
gctacagagt tcttgaagtg	gtggcctaac	tacggctaca	c t a g a a g a a c	agtatttggt	1 1 4 0
atctgcgctc tgctgaagcc	agttaccttc	ggaaaaagag	ttggtagctc	ttgatccggc	1 2 0 0
aaacaaacca ccgctggtag	cggtggtttt	tttgtttgca	agcagcagat	tacgcgcaga	1 2 6 0
aaaaaaggat ctcaagaaga	tcctttgatc	ttttctacgg	ggtctgacgc	tcagtggaac	1 3 2 0
gaaaactcac gttaagggat	tttgctcatg	agacaataac	cctgataaat	gcttcaataa	1380
tattgaaaaa ggaagagtat	gagtattcaa	catttccgtg	tcgcccttat	tcccttttt	1 4 4 0
gcggcatttt gccttcctgt	ttttgctcac	c c a g a a a c g c	tggtgaaagt	aaaagatgct	1500
gaagatcagt tgggtgcacg	agtgggttac	atcgaactgg	atctcaacag	cggtaagatc	1560

cttgagagtt ttcg	ccccga agaacgtttt	ccaatgatga	gcacttttaa	agttctgcta	1620
tgtggcgcgg tatt	atcccg tattgacgcc	gggcaagagc	aactcggtcg	ccgcatacac	1680
tattctcaga atga	cttggt tgagtactca	ccagtcacag	aaaagcatct	tacggatggc	1740
atgacagtaa gaga	attatg cagtgctgcc	ataaccatga	gtgataacac	tgcggccaac	1800
ttacttctga caac	gatcgg aggaccgaag	gagctaaccg	ctttttgca	caacatgggg	1860
gatcatgtaa ctcg	ccttga tcgttgggaa	ccggagctga	atgaagccat	accaaacgac	1 9 2 0
gagcgtgaca ccac	gatgcc tgtagcaatg	gcaacaacgt	t g c g c a a a c t	attaactggc	1 9 8 0
gaactactta ctct	agcttc ccggcaacaa	ttaatagact	ggatggaggc	ggataaagtt	2 0 4 0
gcaggaccac ttct	gcgctc ggcccttccg	gctggctggt	ttattgctga	taaatctgga	2 1 0 0
gccggtgagc gtgg	gtctcg cggtatcatt	gcagcactgg	ggccagatgg	taagccctcc	2 1 6 0
cgtatcgtag ttat	ctacac gacgggagt	caggcaacta	tggatgaacg	aaatagacag	2 2 2 0
atcgctgaga tagg	t g c c t c a c t g a t t a a g	cattggtaac	tgtcagacca	agtttactca	2 2 8 0
tatatacttt agat	tgattt aaaacttcat	ttttaattta	aaaggatcta	ggtgaagatc	2 3 4 0
cctagcttat cggc	caatte ggatettta	ttggatctct	agagaaatgt	tctggcacct	2 4 0 0
gcacttgcac tggg	gacage etatttget	agtttgttt	gtttcgtttt	gttttgatgg	2 4 6 0
agagegtatg tteg	g t a c c c c a c a c a a a a a	accaacacac	agatctaatg	aaaataaaga	2 5 2 0
tcttttattg gatc	ggggat ctaccctcct	tttccacctg	tgtttctcct	t c t c a t c t t c	2 5 8 0
atcacaaaag ccac	cacage tecagtgaet	attgcagctc	c a a g g a c a a c	c a g a a c a g c a	2 6 4 0
atgattaccg tgtt	ggagac agtggatgga	ggaggctccc	atctcagggt	gagggctca	2700
ggcagcccct gatg	gtacac atggcatgtg	taatactgct	ccttcccaag	aggcaccacc	2 7 6 0
acagatgccc actt	ctggaa ggttccatcc	cctgcaggcc	tggtctccac	aagctccatg	2820
tcctgggtca gctc	ctcccc attcaactgc	caggtcaggg	tgatgtcagc	agggtagaag	2880
cccagggccc agca	cctcag ggtgacttta	tcttcaggtc	tgctgtgacg	ggtcacatgg	2 9 4 0
gcctttgggg aatc	tgtgcg cggcagcgtc	gcgttcccga	gctgcaggta	tctgcggagc	3 0 0 0
cactccacgc acgt	gccctc caggtaggcc	cggtctctct	c t g c a t c a c c	agcctgctcc	3 0 6 0

cacttgtgtt	tggtgatcag	cgccgccatg	tcggccgccg	tccacgttt	caggtcttcg	3 1 2 0
ttcagggcga	tgtaatcgca	gccgtcgtat	gcgtactgct	cgtacccgcg	gaggaggcgc	3 1 8 0
cagtccgacc	ccacctcaca	gccgtacatc	cgttggaacg	tgtgagagcc	gcccgcgctc	3 2 4 0
tggttgtagt	agcgcagcgc	ggtcctcagg	ttcactcgga	aaatctgctc	attgcccttg	3 3 0 0
gcgatctgcg	tgttccgctc	ccaatactcg	ggctccacct	gctccatcca	c c g c a c c c g c	3 3 6 0
ggctcatacc	tcggattctc	cgcgtcgctg	tcgaagcgca	cgaactgcgt	gtcgtccacg	3 4 2 0
tagccgacag	agatgaaccg	gggcttcccg	aggccgggcc	gggacacggc	ggtgtggaaa	3 4 8 0
tacctcagcg	aatgtgggcc	cgcgcgggtc	tgagtcgggg	c c a g g g c g g c	c g c c a a c a g c	3 5 4 0
aggagcagca	tgcagggtgc	catcgcaccg	gtcggcgatt	c g a g a c t t c t	gagttccgcg	3 6 0 0
ggctgcgtgg	actttatagc	cagcgtccgc	ggcgacactg	attggttctt	ggtgatcgcg	3 6 6 0
ccacccaatg	ggggtaagag	ctgactgcgc	gtcaacagtg	tccggacaga	aggacctgac	3 7 2 0
ccaggttagg	agcagaagtg	aaactgtgga	gatggggaat	c c c c a g c c c t	gggcttcccc	3 7 8 0
acccctgacc	tcaccgcctg	gcaactaaga	ctttgcctga	accctgtgct	gtcgtctccg	3 8 4 0
agttctgatc	cagaaactct	саааасасса	ggagagaccc	gcaggccaga	ctctctgtgt	3 9 0 0
cctctcttcc	actcttcctc	ttccttctc	tcttcagaag	tcagaccctg	gagtetteta	3 9 6 0
gaagaaaagc	ctcttccggg	aatacaatgg	t g a c a c a a g c	gcttagggat	gcagtggaga	4 0 2 0
gaggcttttc	cttaaagtcg	aggctctggg	c t g c a a g c c c	c a c a c g g a c c	c c a c a g a g a c	4 0 8 0
caggetetgt	tcacctgcaa	tgggtggctc	acactgccaa	gcctgagtgc	aggactcatc	4 1 4 0
tgttaagtgt	agacttcgcc	tctcccctca	ggatctgtct	tctcagccct	gtgctgagac	4 2 0 0
acagattcct	tgtgttaatt	cctagatgaa	gagtctgtgg	ctgcaggtgt	gtgtgtgtgt	4 2 6 0
gtgtgtgtgt	gtgtgtgtat	ttgaaacaag	gatcttcatt	ctgagtcctg	agtttgtctc	4 3 2 0
tgtggacctg	ggacattgtt	tcagcacagg	a g a c c c c c t t	gtccactgaa	gagagacccc	4 3 8 0
tgtgcagacc	a c a g a c a g c a	gggcactgat	cgctgtctcc	actggacttc	tctgtgtctg	4 4 4 0
cacttccatg	gtgcagttgc	tttagtgact	taatcacagt	2 8 8 2 8 2 8 2 2 2	ctgtcaccaa	4 5 0 0
ctataacaca	gaataaggat	gatagtgtgg	tagaagttat	gtaatttctg	accctctccc	4 5 6 0

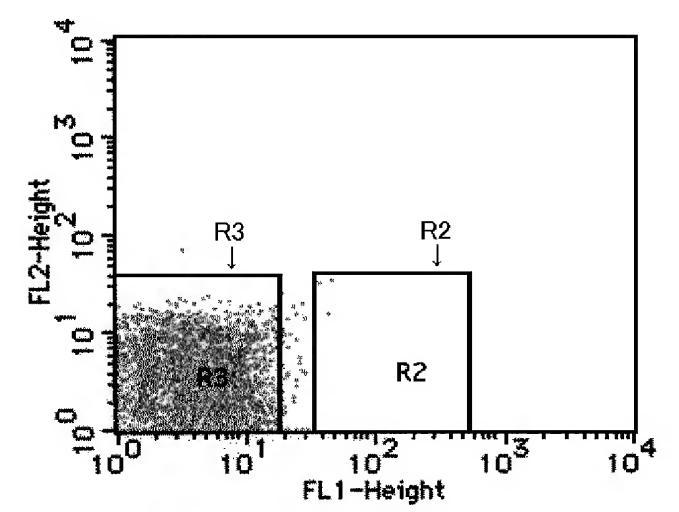
tccctccctg	accttcactc	acacttatga	gctgatgagg	tgagggacat	gaatgtcaca	4 6 2 0
gctgtgtggg	acactggttc	tgataaccta	gttggcccca	gagttcctca	ggggaattgg	4 6 8 0
ccgatgataa	gctgtcaaac	atgagaattg	gtcgatcgac	caattcttga	agacgaaagg	4740
gcctcgtgat	acgcctattt	ttataggtta	atgtcatggg	ccgataagct	agcttggctg	4800
tggaatgtgt	gtcagttagg	gtgtggaaag	t c c c c a g g c t	c c c c a g c a g g	cagaagtatg	4860
caaagcatgc	atctcaatta	gtcagcaacc	aggtgtggaa	agtccccagg	ctcccagca	4 9 2 0
ggcagaagta	tgcaaagcat	gcatctcaat	tagtcagcaa	ccatagtccc	g c c c c t a a c t	4 9 8 0
ccgcccatcc	c g c c c c t a a c	tccgcccagt	t c c g c c c a t t	c t c c g c c c c a	tggctgacta	5 0 4 0
atttttta	tttatgcaga	ggccgaggcc	gcctcggcct	ctgagctatt	ccagaagtag	5 1 0 0
tgaggaggct	ttttggagg	cctaggcttt	tgcaaaaagc	tcctcgagga	actgaaaaac	5 1 6 0
cagaaagtta	actggtaagt	ttagtctttt	tgtctttat	ttcaggtccc	ggatcggaat	5 2 2 0
tgcggccgc						5 2 2 9



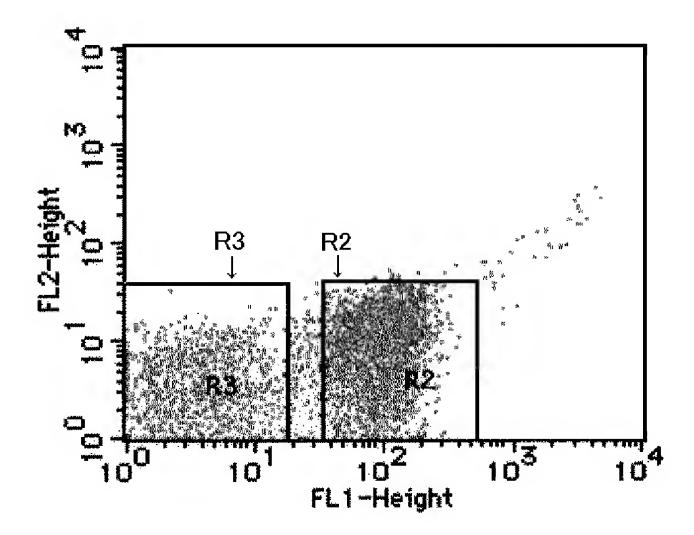
⋖ mDlg

118kD —

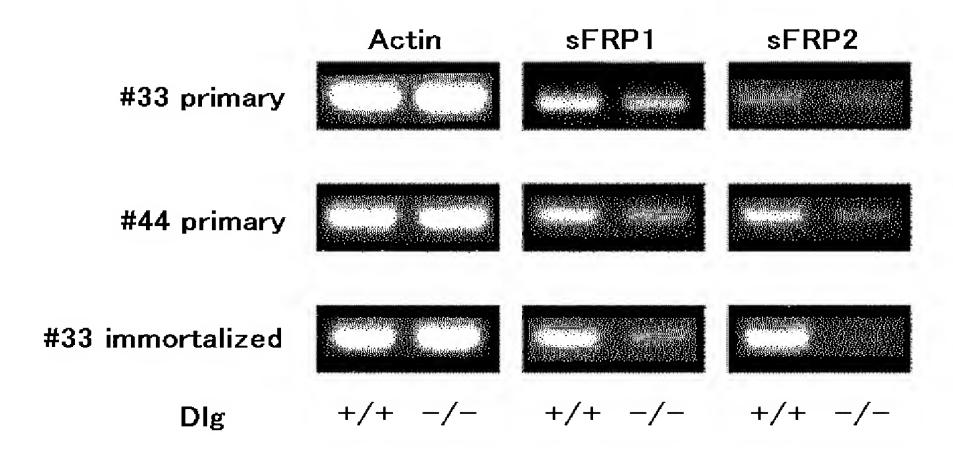
[2 - A]

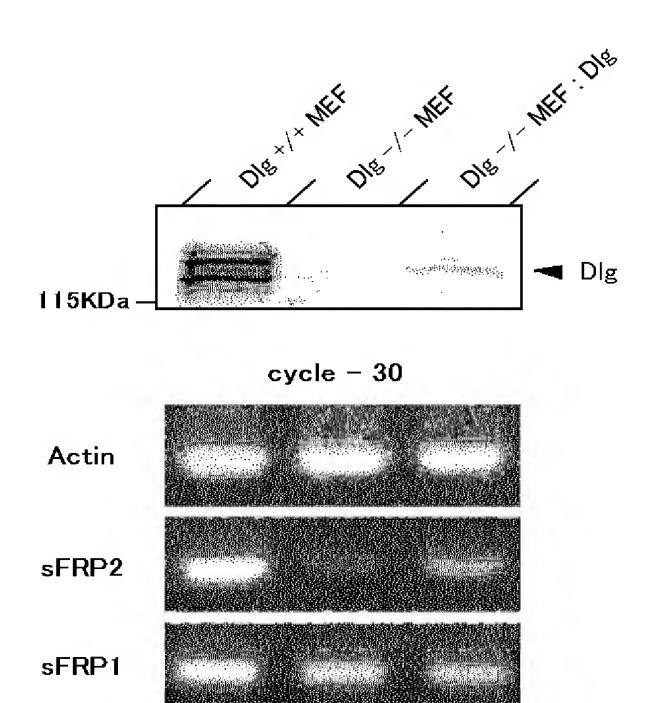


[2 - B]



【図3】





【書類名】要約書

【要約】

【課題】 D 1 g の作用の調節手段および D 1 g 遺伝子の異常に起因する疾患の防止手段または治療手段の提供。

【解決手段】D1gの発現および/または機能を増強する化合物を含むsFRPの発現増強剤および/または機能増強剤;D1gによるsFRPの発現および/または機能を増強する化合物を含む抗腫瘍剤、腫瘍疾患の防止剤および/または治療剤;D1gの発現および/または機能を増強することを特徴とするsFRPの発現増強方法および/または機能増強方法;D1gによるsFRPの発現および/または機能を増強することを特徴とする、腫瘍形成阻害方法、腫瘍疾患の防止方法および/または治療方法;D1g対立遺伝子の一方または両方が欠損した非ヒト哺乳動物;該哺乳動物由来の細胞;該哺乳動物または該細胞を使用する、化合物の同定方法;D1g遺伝子および/またはD1gの発現および/または機能の測定による腫瘍組織または腫瘍細胞の検査方法。

 0 0 0 0 0 2 8 3 1

 19900828

 新規登録

東京都中央区日本橋3丁目14番10号第一製薬株式会社